

## AMENDMENTS TO THE SPECIFICATIONS

Please amend Table 4 on page 75 as follows:

**TABLE 4: PCR Primers**

Reference SNP ID	Forward PCR primer	SEQ ID NO.	Reverse PCR primer	SEQ ID NO.
rs1671152	ACGTTGGATGAGGGCTGTGCAGAGGCCGCTT	<u>18</u>	ACGTTGGATGTGAACATCCTGTCCGGCCTCC	<u>19</u>
rs1050348	CAGCTGGATGACTACAATGC	<u>20</u>	TGTTTCATGTCTTCGGCATCC	<u>21</u>
rs454422	CAGCTTTTGAGGCACTTTCC	<u>22</u>	AGCACCTTGCATACCCATAG	<u>23</u>
rs763471	TAACCTCTGTGTGGCTTTCT	<u>24</u>	GTGAAGAGCTCTGAAATGCC	<u>25</u>
rs2046778	CATGAAGCCTTATGCTTGAG	<u>26</u>	GTTCCCTTCCCCCATAAAAC	<u>27</u>

Please amend Table 5 on page 76 as follows:

**TABLE 5: Extend Primers**

Reference SNP ID	Extend Probe	SEQ ID NO.	Term Mix
rs1671152	CTCCATCCTGACCCCCGT	<u>28</u>	ACT
rs1050348	CACTTGACCAGGCCCTTAAC	<u>29</u>	ACG
rs454422	GATCCTTCTCACTTACTGTTC	<u>30</u>	ACT
rs763471	CTCCAAGCAGTAAAGATGTTC	<u>31</u>	CGT
rs2046778	CTGTCATGATTGACAGGTCC	<u>32</u>	ACT

Please amend Table 8 on pages 82-84 as follows:

**TABLE 8**

dbSNP rs#	Forward PCR primer	SEQ ID NO.	Reverse PCR primer	SEQ ID NO.
10666	ACGTTGGATGAGATGGCCCTCTCCCT	<u>33</u>	ACGTTGGATGAGTGGACTGGCCTGCAGGT	<u>34</u>
172006	ACGTTGGATGGGTTGAGGAGTATTCATTG	<u>35</u>	ACGTTGGATGTGGGTGACAGCAAGACTCCA	<u>36</u>
269909	ACGTTGGATGAGTTTCTGTCTCCTGGGTG	<u>37</u>	ACGTTGGATGCACAACAATGAAAGGACAAGC	<u>38</u>
269910	ACGTTGGATGGGCTGCTCAGGTTCTAAAG	<u>39</u>	ACGTTGGATGCCCCAGTTCTTATCTGATC	<u>40</u>
269911	ACGTTGGATGGGTGACAAAGTGAGACTCCG	<u>41</u>	ACGTTGGATGTGACTAGCTGGGATTATGGG	<u>42</u>
269912	ACGTTGGATGAGGAGAGCCTGCAGGTTGAA	<u>43</u>	ACGTTGGATGTCCCTTGATTGTCATCACAG	<u>44</u>
269913	ACGTTGGATGAGATGCACCGAATGGATCTG	<u>45</u>	ACGTTGGATGTCCTAGGACACAGTGTGGAC	<u>46</u>
269915	ACGTTGGATGAAGCTGAGATTGTGCTGCTG	<u>47</u>	ACGTTGGATGACTACTCTACTTTCTACCCC	<u>48</u>
269916	ACGTTGGATGAACTCCTGACCACGTGATCC	<u>49</u>	ACGTTGGATGAAAGTGTAGCTGGGCATGGC	<u>50</u>
703464	ACGTTGGATGAAAAGTAGCTGAGCGTGGTG	<u>51</u>	ACGTTGGATGCCCAGGTTCAAACAGTTCTC	<u>52</u>
703465	ACGTTGGATGGCTGTGATGACAATCAAGGG	<u>53</u>	ACGTTGGATGAGCAGGAAGTGGCATTGAG	<u>54</u>
703467	ACGTTGGATGAACTTACGAAGGTCTGGGC	<u>55</u>	ACGTTGGATGGGTTTCAGGAACATTCACC	<u>56</u>

dbSNP rs#	Forward PCR primer	SEQ ID	Reverse PCR primer	SEQ ID
		NO.		NO.
703468	ACGTTGGATGGAAGGAACAAGTGATCCAG	<u>57</u>	ACGTTGGATGCTTCTGAAAAAGGAGAAGGG	<u>58</u>
754235	ACGTTGGATGGTGGAAACAACAGTTGGAGC	<u>59</u>	ACGTTGGATGGAGTGGAGATCATGCCATTG	<u>60</u>
775821	ACGTTGGATGTTTTCTCATCCGCCAGCAGG	<u>61</u>	ACGTTGGATGACAGAGCACAGGTCCCTTTC	<u>62</u>
775822	ACGTTGGATGAAAAGTAGAGCATGTGGACC	<u>63</u>	ACGTTGGATGGGGATGAACAGACAATCCTC	<u>64</u>
775894	ACGTTGGATGAGGCAGGAGGACTGATTGAG	<u>65</u>	ACGTTGGATGTTGTAGAGACAGGGTCTTGC	<u>66</u>
775900	ACGTTGGATGTCTGCAACGTTCTGTTCTCC	<u>67</u>	ACGTTGGATGTTCTTAATGTGCCACTGTC	<u>68</u>
775903	ACGTTGGATGTGTGCCCGGCCCTTTTTTTC	<u>69</u>	ACGTTGGATGGGACTCCAGTCTGAGTGACA	<u>70</u>
776251	ACGTTGGATGAATCCTAGCTACTCAGGAGG	<u>71</u>	ACGTTGGATGATGGTATGATCTAGGCTCCC	<u>72</u>
892088	ACGTTGGATGATTGGTTACACTGGGACTGC	<u>73</u>	ACGTTGGATGAAGCGGTGATTCTCAGCCTC	<u>74</u>
892089	ACGTTGGATGCCCTACAAGAATCCCGAGAG	<u>75</u>	ACGTTGGATGAAGCTGTAGCATCGGTAGGTT	<u>76</u>
892090	ACGTTGGATGAAGCTGTAGCATCGGTAGGTT	<u>77</u>	ACGTTGGATGCCCTACAAGAATCCCGAGAG	<u>78</u>
892091	ACGTTGGATGAAGATGGAGGACCACAGGTG	<u>79</u>	ACGTTGGATGACCGGAATTACTGAGAGGTC	<u>80</u>
1036231	ACGTTGGATGAACAGTACTAAGGGCAGATG	<u>81</u>	ACGTTGGATGGTCCAGGGTGTTTACTGTTT	<u>82</u>
1036232	ACGTTGGATGCCAAAGAACTCCCGAATC	<u>83</u>	ACGTTGGATGGATCGTGCCATTGCACTTTG	<u>84</u>
1043673	ACGTTGGATGTGAAGTCATGAGAAGAAGGC	<u>85</u>	ACGTTGGATGGCTGCTGGAAGAAATAGAAG	<u>86</u>
1043678	ACGTTGGATGTTTCATGATCTGAATCCCCC	<u>87</u>	ACGTTGGATGGAACCTATTATCCCTGAGGG	<u>88</u>
1043680	ACGTTGGATGTCTAGCCCAGCAATGAACTC	<u>89</u>	ACGTTGGATGTTCCAGGTGTTGGTGAAGT	<u>90</u>
1043684	ACGTTGGATGCTCAATATACCCGTGATACAG	<u>91</u>	ACGTTGGATGTTTAGCCATGATTCTGCCTC	<u>92</u>
1054796	ACGTTGGATGAGTGTCACCCTGATTTCAG	<u>93</u>	ACGTTGGATGCACCTTGGGAAATACGTTGC	<u>94</u>
1059211	ACGTTGGATGCTCAGCTCCTTGGTGAAGAG	<u>95</u>	ACGTTGGATGGGCAGACGAGGAAGTATAAC	<u>96</u>
1064675	ACGTTGGATGGAGTTCCTCAGTTTTTATTG	<u>97</u>	ACGTTGGATGCCTACTACATTCTTTTTCG	<u>98</u>
1560714	ACGTTGGATGATCTGCTGACCTCGTGATCC	<u>99</u>	ACGTTGGATGAAAAGACAGTCTCAGGTGGG	<u>100</u>
1613662	ACGTTGGATGATGGACCTGCAGAACCTAC	<u>101</u>	ACGTTGGATGTCTGATTTCCAGGAACCTC	<u>102</u>
1625609	ACGTTGGATGTCAAGCGATTCTCCTGCCTC	<u>103</u>	ACGTTGGATGAAAAAATGAGCTGGGCGTGG	<u>104</u>
1625689	ACGTTGGATGGTAATCCAGCTACTTGGAG	<u>105</u>	ACGTTGGATGATCTTGGCTCACTGCAGCCT	<u>106</u>
1626971	ACGTTGGATGTATTAATGCACCTGGCACC	<u>107</u>	ACGTTGGATGCAAAGTGCTGGGATTACAGG	<u>108</u>
1654406	ACGTTGGATGCTTCTATTCTTCCAGCAGC	<u>109</u>	ACGTTGGATGTTTCTTCCCCATTGTACCC	<u>110</u>
1654409	ACGTTGGATGGTGAACCTTGCTCATATAC	<u>111</u>	ACGTTGGATGTGAGAGTAGGCATGTGGTAC	<u>112</u>
1654410	ACGTTGGATGACTGTGCCTAGGCTATACTG	<u>113</u>	ACGTTGGATGGGAAATCATACTGAGATGC	<u>114</u>
1654411	ACGTTGGATGTGGAACCTCTTGGTGCCATC	<u>115</u>	ACGTTGGATGCCTGTAATCCCGGCACTTTG	<u>116</u>
1654412	ACGTTGGATGATTAGCCAGGTGTGGTGGTG	<u>117</u>	ACGTTGGATGTCAAGCCATTCTCCACCTC	<u>118</u>
1654413	ACGTTGGATGAGGGCTGTGCAGAGGCCGCTT	<u>119</u>	ACGTTGGATGTCCATCCTGACCCCCGTTTG	<u>120</u>
1654415	ACGTTGGATGCCAAGAAAGTCCTTGGTGTG	<u>121</u>	ACGTTGGATGCTTTGAAATGGCCCCATCAC	<u>122</u>
1654416	ACGTTGGATGTCTGCTGAGCATGAAATGCC	<u>123</u>	ACGTTGGATGCTGAACTGACCGTCTCATTC	<u>124</u>
1654419	ACGTTGGATGTATCATACGCTAGGCTGGAG	<u>125</u>	ACGTTGGATGATGTTTCTCCTGCCTTGGTG	<u>126</u>
1654420	ACGTTGGATGCCAACCAACCAACAACTG	<u>127</u>	ACGTTGGATGTGGAAGTTTGAGAACCCTG	<u>128</u>
1654421	ACGTTGGATGAGGACACAGGAATCCAGAAG	<u>129</u>	ACGTTGGATGGCACATTCTGGGCTATTAAC	<u>130</u>
1654424	ACGTTGGATGTAGGTGGGAAGGAAGTGGGA	<u>131</u>	ACGTTGGATGCCACTTCTTCCACCTATG	<u>132</u>
1654425	ACGTTGGATGTACCTGTGACCACAAGCTCC	<u>133</u>	ACGTTGGATGTGCTACAGCTTCTCCAGCAG	<u>134</u>
1654438	ACGTTGGATGAATCAACTAGGCATGGTGGC	<u>135</u>	ACGTTGGATGCCAGGTTCAAGCGATTCTCC	<u>136</u>
1654439	ACGTTGGATGCCCCATATACATGTGCGATG	<u>137</u>	ACGTTGGATGAATGGGGTGTTCTGGAGCA	<u>138</u>
1654441	ACGTTGGATGAGTAGCTGGGATTACAGGCG	<u>139</u>	ACGTTGGATGGGAGTTCAAGATAAGCCTGG	<u>140</u>
1654442	ACGTTGGATGAGGAGAATGGTGTGAAGCTG	<u>141</u>	ACGTTGGATGAATCTTGCTGTGACCCAG	<u>142</u>
1654444	ACGTTGGATGGATGGTCCCAGTTTACAT	<u>143</u>	ACGTTGGATGCCAGGAGAATCACTTTATGG	<u>144</u>
1654446	ACGTTGGATGAAAAGGAAGGGCATTCTGGC	<u>145</u>	ACGTTGGATGTTTGGCCTCCAAAGTACTG	<u>146</u>
1654447	ACGTTGGATGATCCCTGGGAAGACGGTCAT	<u>147</u>	ACGTTGGATGTTACCTCTCCTGGCCAGTTC	<u>148</u>

dbSNP rs#	Forward PCR primer	SEQ ID NO.	Reverse PCR primer	SEQ ID NO.
1654448	ACGTTGGATGTGCTCACTGCATGAGATTCC	<u>149</u>	ACGTTGGATGAACTTTGGCCTCCCAAAGTG	<u>150</u>
1654449	ACGTTGGATGAGTCCAGCCTGGCAAACATG	<u>151</u>	ACGTTGGATGCAGTCTAATCTCTCTTTCCC	<u>152</u>
1654451	ACGTTGGATGTTTAAATGCCCGCTGCACG	<u>153</u>	ACGTTGGATGAGGAGGATGCACTTATGTGG	<u>154</u>
1654452	ACGTTGGATGCTGTACGCATTACCAACAGAC	<u>155</u>	ACGTTGGATGGTTTTGGACTCTTGACCTGC	<u>156</u>
1654459	ACGTTGGATGCAGGAGCTTGGGTACCCAC	<u>157</u>	ACGTTGGATGCCCTCATCTGGAATGTGTG	<u>158</u>
1654485	ACGTTGGATGTTGTACCACTGCACTCTAGC	<u>159</u>	ACGTTGGATGCCTGACTCTACAGTTCTTGC	<u>160</u>
1654491	ACGTTGGATGCAGACGTCCGTGCTTCACC	<u>161</u>	ACGTTGGATGTCCAGGAACAGACGGAGGTC	<u>162</u>
1654495	ACGTTGGATGATGACCATTGCTCGTCTGTG	<u>163</u>	ACGTTGGATGGCTTTCTGCAGAGGTTGTCG	<u>164</u>
1654496	ACGTTGGATGAATCACAATGGCAACACGG	<u>165</u>	ACGTTGGATGTTTGGATGCTGGCACTTGTG	<u>166</u>
1654497	ACGTTGGATGACCCCATGCTGTGTTTTCTC	<u>167</u>	ACGTTGGATGCAGAAGACTACCTGATTGTC	<u>168</u>
1654498	ACGTTGGATGCTTCCACACCCACTATATC	<u>169</u>	ACGTTGGATGGTTAGTGAGTCGGTGACATC	<u>170</u>
1654499	ACGTTGGATGCACTACCTCTCTAGCAACTG	<u>171</u>	ACGTTGGATGACCTCAGATGATCTGCCAC	<u>172</u>
1654503	ACGTTGGATGTCTTGCTTGTGGCCCTTC	<u>173</u>	ACGTTGGATGAGCCAGGGCAACGTTTGAAG	<u>174</u>
1654504	ACGTTGGATGCCACCCCATGATTCCATTC	<u>175</u>	ACGTTGGATGTGCTGTGATGCACCTTTGAC	<u>176</u>
1654505	ACGTTGGATGCCCTGTCTCTCTAAAACCAC	<u>177</u>	ACGTTGGATGATTCAAGCAGTTCTCGTGCC	<u>178</u>
1671133	ACGTTGGATGGTGGTCTCAACTTGGCTATC	<u>179</u>	ACGTTGGATGCCAGATAGGATTCCAGGTTTC	<u>180</u>
1671140	ACGTTGGATGAGTCTGACAAGAGAGTCAGC	<u>181</u>	ACGTTGGATGTCTTTACCTACCCACATCC	<u>182</u>
1671148	ACGTTGGATGGCCATCCTTCTGTCTTTTCC	<u>183</u>	ACGTTGGATGAGTGGCTCATGCCTGTAATC	<u>184</u>
1671149	ACGTTGGATGCTTTTCCCAAGTGACTCACC	<u>185</u>	ACGTTGGATGAAAAGAATGGCTGGCCACAG	<u>186</u>
1671150	ACGTTGGATGGTGTCTATGATCAAATCAGGG	<u>187</u>	ACGTTGGATGACACCACTGCACTCTAGCTC	<u>188</u>
1671151	ACGTTGGATGGGAAAACAGACAAGAGCAC	<u>189</u>	ACGTTGGATGTGACTCTGTTCCATCCTCTG	<u>190</u>
1671152	ACGTTGGATGAGGGCTGTGCAGAGGCCGCTT	<u>191</u>	ACGTTGGATGTGAACATCCTGTCCGCCCTCC	<u>192</u>
1671153	ACGTTGGATGCCTACTCCGAACACACACAC	<u>193</u>	ACGTTGGATGATTATAGGCATGAGGCACCG	<u>194</u>
1671169	ACGTTGGATGTCTGTTGCTGGACACTATC	<u>195</u>	ACGTTGGATGTCACACCTTCCGAGGATTAG	<u>196</u>
1671170	ACGTTGGATGAGGTGACAGTGTGTACCTG	<u>197</u>	ACGTTGGATGACAAAGAAGTGTGAGAGGGC	<u>198</u>
1671171	ACGTTGGATGAAGCAAGATACCGTCTCAGA	<u>199</u>	ACGTTGGATGCCGGGAAATGGAATAATTCC	<u>200</u>
1671176	ACGTTGGATGTGGAGCCACTTATGGAGAAC	<u>201</u>	ACGTTGGATGACCCCACTGAAACACAGAC	<u>202</u>
1671178	ACGTTGGATGTAATCCAGCACTTTGGGAG	<u>203</u>	ACGTTGGATGCATGTTTGCCAGGCTGGACT	<u>204</u>
1671182	ACGTTGGATGATAGGGCGGCTTTTCTCCTG	<u>205</u>	ACGTTGGATGCCTGGGAAGTGAATGTCTCG	<u>206</u>
1671187	ACGTTGGATGAGTGCTCAGCAACGATTACG	<u>207</u>	ACGTTGGATGGAGGGCTGCAGGTTGAGAAA	<u>208</u>
1671188	ACGTTGGATGGGAACCGCAGATGGACAATG	<u>209</u>	ACGTTGGATGAGATCACAGAGTGAGGAGAG	<u>210</u>
1671191	ACGTTGGATGTCGGACGCACACAGACTGTAG	<u>211</u>	ACGTTGGATGGGAAAGCGTATCTGCAGAGG	<u>212</u>
1671192	ACGTTGGATGTGGTAAGAGACGGACAGTTC	<u>213</u>	ACGTTGGATGTCAGCAGAAAGGAGTGTGAG	<u>214</u>
1671196	ACGTTGGATGTTGCTAGGCAACAGGCACTC	<u>215</u>	ACGTTGGATGTCTGTATCTGAGCCTCACTG	<u>216</u>
1671198	ACGTTGGATGATGAACTAAGGCACATGGC	<u>217</u>	ACGTTGGATGCTTATAATCTACCCTCTTAGC	<u>218</u>
1671199	ACGTTGGATGGCTGAAATTTGCTAAGAGGG	<u>219</u>	ACGTTGGATGGACAGTTACTACTAGCAAGC	<u>220</u>
1671214	ACGTTGGATGAGGCGGAGAATGATCCGGTG	<u>221</u>	ACGTTGGATGACGCCATCATTCGTGCATCC	<u>223</u>
1671215	ACGTTGGATGTTCTCCAAAGCACCCAAGTG	<u>224</u>	ACGTTGGATGATGCTGGGCTTGCTTTTCC	<u>225</u>
1671216	ACGTTGGATGTGCTTGGGAGCAAGTTACAG	<u>226</u>	ACGTTGGATGTTCCCTCCTGGTATTTAC	<u>227</u>
1671217	ACGTTGGATGTTGTCTCCATTCCTCCCTGG	<u>228</u>	ACGTTGGATGTCTGTCTTGCCCTCTCGCT	<u>229</u>
1671218	ACGTTGGATGTGAGTCTGGTAGGCACTTC	<u>230</u>	ACGTTGGATGTAGAAGCCAGTCGCTACATC	<u>231</u>
1671219	ACGTTGGATGTGATCTCGGCTCACTGCAAG	<u>232</u>	ACGTTGGATGAAATTAGCTGGGCATGGTGG	<u>233</u>
1671221	ACGTTGGATGTGGTGAACCCCATTTCTAC	<u>234</u>	ACGTTGGATGGGTTCAAGGGATTCTCCTGC	<u>235</u>
1671223	ACGTTGGATGTCAAGTGATTCTCCTGCCTC	<u>236</u>	ACGTTGGATGCCACCTCTACTGAAAATAC	<u>237</u>
1671224	ACGTTGGATGTGAGTCTCACTCTTGTTGCC	<u>238</u>	ACGTTGGATGCAGGAGAATCACTTGAACCC	<u>239</u>
1671225	ACGTTGGATGTATAGCGTGAGCCACTATG	<u>240</u>	ACGTTGGATGCTATTGGAAGCTACATGCTC	<u>241</u>

dbSNP rs#	Forward PCR primer	SEQ ID	Reverse PCR primer	SEQ ID
		NO.		NO.
1671226	ACGTTGGATGTATTGGCCAGACTGGACTTC	<u>241</u>	ACGTTGGATGAGTTACTCAGGAGGCTAAGG	<u>242</u>
1671227	ACGTTGGATGGGTTTCTGTTCCAGAGATTCG	<u>243</u>	ACGTTGGATGTGCAGTGAGCCTAGATCATG	<u>244</u>
1671228	ACGTTGGATGTCAGCCTCCCAGGGATTAAG	<u>245</u>	ACGTTGGATGACATGGTGAAAACCTCGTCTC	<u>246</u>
1869616	ACGTTGGATGTAATCCCAGCTACTCGGAAG	<u>247</u>	ACGTTGGATGACGGTGGCTCACTTCAACCT	<u>248</u>
2019599	ACGTTGGATGGTGCTGGGATTATAGGCATG	<u>249</u>	ACGTTGGATGTACTCCGAACACACACACAC	<u>250</u>
2116883	ACGTTGGATGATTACAGGCATGAGCCACTG	<u>251</u>	ACGTTGGATGCACGCGCAGTTCAATTTCTC	<u>252</u>
2124090	ACGTTGGATGTCTGACAAAGCTGGAAGCTG	<u>253</u>	ACGTTGGATGCTGATAAACAAGGCTGTGGG	<u>254</u>
2163833	ACGTTGGATGGATATTGGTGAGTATGCAGAG	<u>255</u>	ACGTTGGATGAACTGTTTTCCACAGCAGGG	<u>256</u>
2217659	ACGTTGGATGTTCCCCCTTCTCCTTTTTTC	<u>257</u>	ACGTTGGATGATGAGGTAACCTTACCTAATG	<u>258</u>
2304167	ACGTTGGATGGTTTGGTTCCAGAGACTTC	<u>259</u>	ACGTTGGATGAGGATGACTTACTCACCAGC	<u>260</u>
2304168	ACGTTGGATGTCAGCAGAAAGGAGTGTGAG	<u>261</u>	ACGTTGGATGTGGTAAGAGACGGACAGTTC	<u>262</u>
2365593	ACGTTGGATGTGACGCAGTAAGACTCCATC	<u>263</u>	ACGTTGGATGCAAAGTGCTGGGATTACAGG	<u>264</u>
2365721	ACGTTGGATGTTGTACAGCCTGCAAGCAAC	<u>265</u>	ACGTTGGATGAGATCGCGCCATTGCACTCA	<u>266</u>
2569513	ACGTTGGATGGTTGGCGTTTTTGTTCAC	<u>267</u>	ACGTTGGATGTCTCATAGTATTCTGCAGGG	<u>268</u>
2569514	ACGTTGGATGTCCCTGCAGAATACTATGAG	<u>269</u>	ACGTTGGATGAGAGTGTTGGGATTACAGGC	<u>270</u>
2886414	ACGTTGGATGGGTGTGCTTTACAAATGCTG	<u>271</u>	ACGTTGGATGAACTGAGATCACTCCACTGC	<u>272</u>
2886415	ACGTTGGATGTGACGCAGTAAGACTCCATC	<u>273</u>	ACGTTGGATGCAAAGTGCTGGGATTACAGG	<u>274</u>
3745912	ACGTTGGATGACGTCTTCTGAGGCACAGAG	<u>275</u>	ACGTTGGATGGCTGTTAGAGGCTGGCAGG	<u>276</u>
3786863	ACGTTGGATGTGACCAACAGAAGTCTCAGG	<u>277</u>	ACGTTGGATGTTGACCTCAGGTGATCCATC	<u>278</u>

Please amend Table 9 on pages 84-87 as follows:

**TABLE 9**

dbSNP rs#	Extend Primer	SEQ ID NO.	Term Mix
10666	TGCAGGTGAGCACTGCCC	<u>279</u>	ACG
172006	GCAAGACTCCATCTCAA	<u>280</u>	ACT
269909	AAGCATAGATCAGATAAGGAA	<u>281</u>	ACT
269910	ATCTATGCTTGTCTTTTCAT	<u>282</u>	ACT
269911	GCTCAGCTACTTTTTGTAT	<u>283</u>	CGT
269912	CAAGATGGTGTCTTCGGC	<u>284</u>	ACT
269913	ACAGTGTGGACCGATTTC	<u>285</u>	ACT
269915	AGACAAGTCTCACTCTG	<u>286</u>	ACG
269916	GGCGGCTCACACCTGTAAT	<u>287</u>	ACG
703464	CTCCTGCCTCAGCCTCC	<u>288</u>	ACG
703465	TGGCATTGAGACAGGA	<u>289</u>	ACT
703467	CATTCACCATGTCTGTGTGAG	<u>290</u>	ACG
703468	CTTCATAAAAGAAAAGATGACA	<u>291</u>	ACG
754235	CATGCCATTGTACTCCAGCC	<u>292</u>	ACG
775821	CCTGCCAGCCTCTAACAGC	<u>293</u>	ACG
775822	TAGTGATGTCTGCTTCAG	<u>294</u>	ACT
775894	TTGCCAGGCTGGCCTC	<u>295</u>	ACT
775900	GAATGCCAACCTCCCTTCC	<u>296</u>	ACT

dbSNP rs#	Extend Primer	SEQ ID NO.	Term Mix
775903	TCTGAGTGACAGAGCGA	<u>297</u>	ACT
776251	GCTCCCCGCAACCTCCGC	<u>298</u>	ACG
892088	GCCTCGGCCGCAATCACA	<u>299</u>	ACT
892089	CGGTCACCGTGATGATGGG	<u>300</u>	ACT
892090	AGAATCCCGAGAGATGGTAC	<u>301</u>	CGT
892091	GTCCTTCACCTGAGCTTCC	<u>302</u>	ACT
1036231	GTGTTTACTGTTCAAGGCAAGT	<u>303</u>	ACT
1036232	GGCAACAGAGCAAGACT	<u>304</u>	ACG
1043673	ACTGAGAAACATCATCCCTGGG	<u>305</u>	CGT
1043678	AGTCACAGGCAGTTCACC	<u>306</u>	CGT
1043680	CTGTGACTCCTCTCCTCCCC	<u>307</u>	ACT
1043684	CTGTTTTATACCTGCACAC	<u>308</u>	ACT
1054796	ACGCCAGGCAGGCTCTCA	<u>309</u>	ACT
1059211	CGCCTACTGCCAGAGCAAGCT	<u>310</u>	ACG
1064675	ATTCCTTTTTGCTGAAATAATGAA	<u>311</u>	ACT
1560714	TGGGGCGTGATGGCTCA	<u>312</u>	ACG
1613662	CAACAGAACCACCTTCC	<u>313</u>	ACG
1625609	GTGCACACCTGTAATCC	<u>314</u>	ACG
1625689	CAGGGCTCAAGCGATTCTCC	<u>315</u>	ACG
1626971	TCGCCTGGCCAAAAAAA	<u>316</u>	ACT
1654406	CATTGTACCCCAGGTTGAAAAT	<u>317</u>	CGT
1654409	GTGGTACCACACCCAGCTAATT	<u>318</u>	ACT
1654410	ATCATACTGAGATGCTATCAGAA	<u>319</u>	ACT
1654411	GCACTTTGGGAGGTTGAGG	<u>320</u>	ACT
1654412	CATTCTCCCACCTCAGCCCCC	<u>321</u>	ACG
1654413	CCCGTTTGATTTCCGGGTC	<u>322</u>	CGT
1654415	GGCCCCATCACCCAAAA	<u>323</u>	ACG
1654416	GACCGTCTCATTACAAAAC	<u>324</u>	ACT
1654419	TTGGTGCTTCACTCTGAGAC	<u>325</u>	ACT
1654420	GAGAACCGCTGATCAATGCA	<u>326</u>	CGT
1654421	GCATGCAGCTCCCGTCC	<u>327</u>	ACT
1654424	CCACCTATGGCCGCGCCCT	<u>328</u>	ACT
1654425	CAGGGACCCATACCTGTGGTC	<u>329</u>	ACT
1654438	TCAGCCTCCTGAGTAGCTGG	<u>330</u>	ACT
1654439	GTTTCTGGAGCACTCCGGT	<u>331</u>	ACT
1654441	GATAAGCCTGGCCAACA	<u>332</u>	ACG
1654442	ATGATCTCGGCTCACTGCAA	<u>333</u>	ACT
1654444	TATGGATCTTTCTAGTCTTGT	<u>334</u>	CGT
1654446	ACTGATTACAGGCGTGC	<u>335</u>	ACT
1654447	CCCGATGCCTGTGTTGGC	<u>336</u>	ACT
1654448	AGTGCTGGGATTACAGG	<u>337</u>	ACG
1654449	AATCTCTCTTTCCCTACACA	<u>338</u>	ACG
1654451	TAATGCGTACAGCAGCC	<u>339</u>	CGT
1654452	ACTGGAGGAGGATGCACTTA	<u>340</u>	ACG

dbSNP rs#	Extend Primer	SEQ ID NO.	Term Mix
1654459	ATGCACAGAAACAAGGATCTA	<u>341</u>	ACT
1654485	CTTGCTTTTTTTTTTTGGACAG	<u>342</u>	ACT
1654491	GCACCCCGAGCCTTCCAG	<u>343</u>	ACT
1654495	TTGTCGTAAGTCTCTCCTCTCTT	<u>344</u>	CGT
1654496	CGGGAAGGTTGAAGTTGGAC	<u>345</u>	CGT
1654497	CCATTTACAACCAATTGC	<u>346</u>	ACT
1654498	CTTGTTGGGACTTCTTTTTTA	<u>347</u>	ACT
1654499	ACCCTGGCCTCCCTAAC	<u>348</u>	ACT
1654503	GGGCAACGTTTGAAGATGCTCTGC	<u>349</u>	ACG
1654504	CACCTTTGACTCTTGAGCC	<u>350</u>	ACT
1654505	TAGCTATGTGCCACCATGCC	<u>351</u>	ACG
1671133	GATTGTAGCTAACTCACAAGG	<u>352</u>	ACT
1671140	TACCTACCCACATCCTATAAAA	<u>353</u>	ACG
1671148	CCTGTAATCCCGGCACT	<u>354</u>	ACT
1671149	CTGGCCACAGTGGCTCA	<u>355</u>	ACG
1671150	CGGGTGACGAAGCCTGAC	<u>356</u>	ACG
1671151	TCCTCTGTGCAAAATCCTCC	<u>357</u>	ACG
1671152	CTCCATCCTGACCCCCGT	<u>358</u>	ACT
1671153	CTGTGGAATTGTGCCTC	<u>359</u>	CGT
1671169	CATGTCCACAGAGGCTAAC	<u>360</u>	ACT
1671170	GAGAGGGCAATGCCTCAGAG	<u>361</u>	CGT
1671171	TTCTGGGATTCTCTAGAGGG	<u>362</u>	ACT
1671176	AGACATCATCACATCACACCA	<u>363</u>	CGT
1671178	CCAGGCTGGACTCGAACT	<u>364</u>	ACG
1671182	ACTGAATGTCTCGGTATAAAACC	<u>365</u>	ACG
1671187	CAGGTTGAGAAAGCTCTA	<u>366</u>	CGT
1671188	CAGAGTGAGGAGAGTGAGAC	<u>367</u>	ACT
1671191	GAGCGGTTAGAAGATGTGCT	<u>368</u>	ACT
1671192	AAGCCTGTAGGCTTTTAA	<u>369</u>	ACG
1671196	GGGATGACTGAATGAGACAGTA	<u>370</u>	ACG
1671198	CCCTCTTAGCAAATTTAGCT	<u>371</u>	ACT
1671199	TAACTTTTTTGTGTGTGAGAA	<u>372</u>	ACG
1671214	CGTGCATCCTTCCACCTA	<u>373</u>	ACG
1671215	GTAACAAGATGATGTAA	<u>374</u>	CGT
1671216	TTACACCCTGGAGTGGTCC	<u>375</u>	ACT
1671217	TGCCCTCTCGCTGGCTGG	<u>376</u>	ACG
1671218	CAAAGGGAGGTGGTCGCAC	<u>377</u>	ACG
1671219	CAGGAGAATGGTGTGAACC	<u>378</u>	ACG
1671221	AGCTGGGATTACAGGCA	<u>379</u>	ACG
1671223	TACAAAATTAGCTGGGCATG	<u>380</u>	ACT
1671224	CTGTGAGCCGAGATTGC	<u>381</u>	ACT
1671225	CTCAATGTGATCCTCCT	<u>382</u>	ACT
1671226	GCAGGAGAATCACTTGAACCT	<u>383</u>	ACT
1671227	AGATCATGCCATTGCCAGC	<u>384</u>	ACT

dbSNP rs#	Extend Primer	<u>SEQ ID NO.</u>	Term Mix
1671228	ACAGAAGTTAGCTGGGC	<u>385</u>	ACT
1869616	CTTCAACCTCCGCCTCCTGG	<u>386</u>	ACT
2019599	GAAAAGCATGGGCCGGGCA	<u>387</u>	ACG
2116883	CATACTACCAATATCTGCT	<u>388</u>	ACT
2124090	GCTTTGTGTTCTTTCTAGTC	<u>389</u>	ACT
2163833	GCCAGCAATGCACGCGCAGT	<u>390</u>	ACG
2217659	GTAACCTACCTAATGATAGAGG	<u>391</u>	ACG
2304167	TGACTCCTTTGGACTGG	<u>392</u>	ACG
2304168	CAGTTCGGTGAAGTGGTT	<u>393</u>	ACT
2365593	GGTGTGAGCCACCACGCC	<u>394</u>	ACG
2365721	AGACTCCCTCTCAAAATAA	<u>395</u>	ACG
2569513	AGGGATAAGCATGAAACCACT	<u>396</u>	ACG
2569514	GCGTGAGCCACCACGCC	<u>397</u>	ACG
2886414	GGGTGACAAAGTGAGACTC	<u>398</u>	ACG
2886415	CACGCCTGGCTAAGCCT	<u>399</u>	ACT
3745912	GGCTGGCAGGCCAGGTCAAC	<u>400</u>	ACT
3786863	GTGCTGGGATTACAGGC	<u>401</u>	ACT

Please amend Table 11 on page 91 as follows:

**TABLE 11**

dbSNP rs#	First PCR primer	<u>SEQ ID NO.</u>	Second PCR primer	<u>SEQ ID NO.</u>
1654416	ACGTTGGATGTCTGCTGAGCATGAAATGCC	<u>402</u>	ACGTTGGATGCTGAACTGACCGTCTCATTC	<u>403</u>

Please amend Table 12 on page 91 as follows:

**TABLE 12**

dbSNP rs#	Extend  1. Primer	<u>SEQ ID NO.</u>	Term Mix
1654416	TGACCGTCTCATTCAAAAC	<u>404</u>	ACT

Please amend Table 15 on pages 94-95 as follows:

**TABLE 15**

dbSNP rs#	Forward PCR primer	<u>SEQ ID NO.</u>	Reverse PCR primer	<u>SEQ ID NO.</u>
LAMA4_SNP5	ACGTTGGATGACAGTTCTTGGCTATCCTGG	<u>405</u>	ACGTTGGATGACTGGCCAGTGTAGGAATTG	<u>406</u>
LAMA4_SNP6	ACGTTGGATGGAAGGGATTGACTCAGGAG	<u>407</u>	ACGTTGGATGCTTCCTTCACCTGAAGATGG	<u>408</u>

dbSNP rs#	Forward PCR primer	SEQ ID NO.	Reverse PCR primer	SEQ ID NO.
LAMA4_SNP4	ACGTTGGATGTTGAAGGACTGATCTATGGG	<u>409</u>	ACGTTGGATGAAAGCAACAGACAAGGCAAG	<u>410</u>
LAMA4_SNP1	ACGTTGGATGCAGACTGGAAATGCGCAATG	<u>411</u>	ACGTTGGATGCGTATCTTCAAGATGCACAG	<u>412</u>
1050348	ACGTTGGATGTGTTTCATGTCTTCGGCATCC	<u>413</u>	ACGTTGGATGCAGCTGGATGACTACAATGC	<u>414</u>
LAMA4_SNP2	ACGTTGGATGAGGAATGCTTACAACGGAGG	<u>415</u>	ACGTTGGATGAACTCCCTTCATCCTTCCTC	<u>416</u>
744006	ACGTTGGATGTTGCCTTGAAGGTAGGCATG	<u>417</u>	ACGTTGGATGGGGTTAGCAGCTTAACCTTC	<u>418</u>
763247	ACGTTGGATGCCGGCCAAGACCAATACATC	<u>419</u>	ACGTTGGATGTGCAGACATGCACTATTCTC	<u>420</u>
764071	ACGTTGGATGCCACTTGAAAGATTCAAGG	<u>421</u>	ACGTTGGATGTATTGTGACTTCTGCAGAAC	<u>422</u>
764587	ACGTTGGATGCAACATAGACCAGAAGTGGG	<u>423</u>	ACGTTGGATGTTACATACGGAAGGCCTTG	<u>424</u>
969138	ACGTTGGATGACTGGACCAAGGTAGATCAC	<u>425</u>	ACGTTGGATGCTCAGGCTAATCTCTCTAGG	<u>426</u>
971402	ACGTTGGATGCCACTTTTCTGTGGAATATC	<u>427</u>	ACGTTGGATGCAAGTTAATGAGTTTCTCCC	<u>428</u>
971405	ACGTTGGATGAAACAGTGCTTTGAAGGAG	<u>429</u>	ACGTTGGATGCTATCTCCAAAGGGTAACAG	<u>430</u>
1050348	ACGTTGGATGCAGCTGGATGACTACAATGC	<u>431</u>	ACGTTGGATGTGTTTCATGTCTTCGGCATCC	<u>432</u>
1050349	ACGTTGGATGCTATGATTTTGGATTCACGG	<u>433</u>	ACGTTGGATGACCTCATGGTATTTTGCATC	<u>434</u>
1158747	ACGTTGGATGTTGAAGGACTGATCTATGGG	<u>435</u>	ACGTTGGATGAAAGCAACAGACAAGGCAAG	<u>436</u>
1418499	ACGTTGGATGACCATAGGGAAGTAAATC	<u>437</u>	ACGTTGGATGCTTAAAGATAGATTCCAGGG	<u>438</u>
1480646	ACGTTGGATGCAGTGTCTCTTCTTCCAG	<u>439</u>	ACGTTGGATGCAAATTTCCACGAGCCTGAG	<u>440</u>
1894681	ACGTTGGATGTGGGATTCCCCTAAAGGATG	<u>441</u>	ACGTTGGATGAAGATCAGCAGCACCAAAGG	<u>442</u>
2032565	ACGTTGGATGAAAGAGCAACTGAAGGACCC	<u>443</u>	ACGTTGGATGTAAATTGGAACATCAACAGG	<u>444</u>
2032566	ACGTTGGATGTAAATTGGAACATCAACAGG	<u>445</u>	ACGTTGGATGAAAGAGCAACTGAAGGACCC	<u>446</u>
2032567	ACGTTGGATGCGTATCTTCAAGATGCACAG	<u>447</u>	ACGTTGGATGAGACTGGAAATGCGCAATGG	<u>448</u>
2032568	ACGTTGGATGACTCGCATAACAGATGTTCC	<u>449</u>	ACGTTGGATGTACCATTCGCATTTCCAG	<u>450</u>
2051649	ACGTTGGATGACCTGCTGAAAACCAACACC	<u>451</u>	ACGTTGGATGGGAGAGGAGAACCCTGGAC	<u>452</u>
2068770	ACGTTGGATGCACTTCACGTACTTCACTGG	<u>453</u>	ACGTTGGATGAGTTTGCTCCTATGTGGCTC	<u>454</u>
2072019	ACGTTGGATGAGGTCCACAGAAGATGTTAG	<u>455</u>	ACGTTGGATGCACAACGGTCATTGGAACAC	<u>456</u>
2072020	ACGTTGGATGAAGTCTGTGTCTGCAAGG	<u>457</u>	ACGTTGGATGCAGTTGTCTTAGCACACAGG	<u>458</u>
2072022	ACGTTGGATGCAAAGAAGAAAGATGTAGTGG	<u>459</u>	ACGTTGGATGCGAAATCTGGTCTATGAAG	<u>460</u>
2072026	ACGTTGGATGTCTATCACCATCACACTAC	<u>461</u>	ACGTTGGATGCAGCATCAAACAGAATAGGC	<u>462</u>
2072029	ACGTTGGATGTCCTTGCAGACTGATACTCC	<u>463</u>	ACGTTGGATGCTCACTCACTCCTTGCTAAGC	<u>464</u>
2157544	ACGTTGGATGCATATGTAGTAGGAATGAGGG	<u>465</u>	ACGTTGGATGTGAGGCTCAAAGGGATTAGG	<u>466</u>
2157545	ACGTTGGATGTCTGGTCAACCACATAGATC	<u>467</u>	ACGTTGGATGTGTTCTACTGCAGCTCCAAG	<u>468</u>
2157546	ACGTTGGATGTCCACTTGTACAGAAATGGAG	<u>469</u>	ACGTTGGATGCATTTACTCAGTGCCAGGTC	<u>470</u>
2157547	ACGTTGGATGCCATACCATTTACTTCTGCC	<u>471</u>	ACGTTGGATGAGGCAAGTACACATACAATG	<u>472</u>
2157550	ACGTTGGATGCACACACACATTTAATTGCC	<u>473</u>	ACGTTGGATGTTGTTTCAGAATTACATGATG	<u>474</u>
2213838	ACGTTGGATGAAAGGACTTGAGGGTGATTG	<u>475</u>	ACGTTGGATGGCAACAAACAGTGTTCCAGC	<u>476</u>
2213839	ACGTTGGATGAGTCACAGTTCAGTCCCAAC	<u>477</u>	ACGTTGGATGGGGCAATTTTCTAGTCCAGC	<u>478</u>
2213840	ACGTTGGATGCTTTTCGCACAAGGCTCTATC	<u>479</u>	ACGTTGGATGAAGTCTGTGTTAAGCCCCC	<u>480</u>
2227237	ACGTTGGATGGATGTCTCTAAGTTGAAATGC	<u>481</u>	ACGTTGGATGATATCAATCACCTCAAGTC	<u>482</u>
2237238	ACGTTGGATGCAGAGGCTGAAGGAACATAC	<u>483</u>	ACGTTGGATGTCTGTAATCCAGGACCCTA	<u>484</u>
2237241	ACGTTGGATGTCAGCAGGCTCTATCTAAG	<u>485</u>	ACGTTGGATGCCAAGCAGTATTGCTAATGG	<u>486</u>
2237242	ACGTTGGATGCCTCACCATTGTGTTAGGC	<u>487</u>	ACGTTGGATGTGACTATTTCCGCTTGGCTC	<u>488</u>
2237244	ACGTTGGATGGAGAAAAATAGACTCGGCC	<u>489</u>	ACGTTGGATGCACAGACGAGGATTGGAT	<u>490</u>
2237247	ACGTTGGATGCTGCTTCTCCAGTAATGTTG	<u>491</u>	ACGTTGGATGGTGTAGTAACACTGATGCC	<u>492</u>
2237248	ACGTTGGATGCCCTCCCAGATATCATTAG	<u>493</u>	ACGTTGGATGCATATCCACAGCCTAATCAC	<u>494</u>
2237249	ACGTTGGATGAAATGCTTCTACTGCAATC	<u>495</u>	ACGTTGGATGTGGAGAGTTGTGGTTGATGG	<u>496</u>
2239849	ACGTTGGATGGACATCAGATCAGACAGCAC	<u>497</u>	ACGTTGGATGACTTCTGGCATTGACTGGG	<u>498</u>
2239850	ACGTTGGATGGCCAGGAAAAATTAATTCAC	<u>499</u>	ACGTTGGATGGCAGTACGGATTAGCATGAG	<u>500</u>



dbSNP rs#	Forward PCR primer	SEQ ID NO.	Reverse PCR primer	SEQ ID NO.
2269646	ACGTTGGATGTCACCTCACTTTGAAGAGC	<u>501</u>	ACGTTGGATGTCTGGTTAGGCTTCAGTTAG	<u>502</u>
2277084	ACGTTGGATGGAGGGTAAAAATGACAGCAG	<u>503</u>	ACGTTGGATGTTTTGCTTGGTGTTCAGCAG	<u>504</u>
2282853	ACGTTGGATGTCTTGACCTTCCTGGTTTTTC	<u>505</u>	ACGTTGGATGTATCAGAGCTAGAAGAAACC	<u>506</u>
2282854	ACGTTGGATGTAGCCAGTGTTAAGAAAGC	<u>507</u>	ACGTTGGATGTTCTCATGTTGGGGAGACAC	<u>508</u>
2301512	ACGTTGGATGATCTGAGTGGTTTCAGGAGG	<u>509</u>	ACGTTGGATGACCTGTTGGAACACATGAAG	<u>510</u>
2301513	ACGTTGGATGCTGGCGGGTAGTGCTTCAT	<u>511</u>	ACGTTGGATGCTTTGAAATTGTTCTTGCC	<u>512</u>
2345808	ACGTTGGATGTTCTGGGATTTAAAGGAGGC	<u>513</u>	ACGTTGGATGCCAAACATTTCTTGTTGGAC	<u>514</u>
3734286	ACGTTGGATGACCTTACACTCCAGTGAATC	<u>515</u>	ACGTTGGATGGCCGTTAAGCAACTACAAGC	<u>516</u>
3734287	ACGTTGGATGCAGTGGAGAAGATGAAACCC	<u>517</u>	ACGTTGGATGCCCACTTCTGGTCTATGTTG	<u>518</u>
3752577	ACGTTGGATGCATGGCTGAGGTTACTTAGG	<u>519</u>	ACGTTGGATGGAATGCGTCAGGGATTATG	<u>520</u>
3777925	ACGTTGGATGCTACAAGTCTAACAGTCAGAG	<u>521</u>	ACGTTGGATGTTACAGAGCAAGGTCTGAGG	<u>522</u>
3777926	ACGTTGGATGGTGAGTACCATCCCTTTTGC	<u>523</u>	ACGTTGGATGCTGTAAACTGCCTCAGACC	<u>524</u>
3777927	ACGTTGGATGAAACGAATGCTTGAGAGCAG	<u>525</u>	ACGTTGGATGGTCCTGATTTATGAGCTCCC	<u>526</u>
3777928	ACGTTGGATGTTACACGTAGACCTGTTG	<u>527</u>	ACGTTGGATGTCAGGAGTTGAGCAAGCTAG	<u>528</u>
3777929	ACGTTGGATGGCTGTCTTTGGGATTAAAT	<u>529</u>	ACGTTGGATGTTCATAAAGAAGTGGAGAGC	<u>530</u>
3777932	ACGTTGGATGTCCAGACCTTAAGATTCCC	<u>531</u>	ACGTTGGATGTATTAGGCTCTTTGGCCGAC	<u>532</u>
3777934	ACGTTGGATGCAAGATCCAGATGGTGAGGG	<u>533</u>	ACGTTGGATGCAAGGTCAGAGTGTCACTGG	<u>534</u>
3777941	ACGTTGGATGGCTTCTGAGATTATATTGAC	<u>535</u>	ACGTTGGATGCTCCATTCCAAATTCCTTTC	<u>536</u>
3777942	ACGTTGGATGTCATGACAAATCATGACTAG	<u>537</u>	ACGTTGGATGTCAGATACAAGTGAAGGTAG	<u>538</u>
3798357	ACGTTGGATGTCCCAATTCAGGAAATGGTG	<u>539</u>	ACGTTGGATGTGCTTGGTATACCATGCCTG	<u>540</u>
3798359	ACGTTGGATGTTCTCAGCACACAGCCCCA	<u>541</u>	ACGTTGGATGATGAACCTTACACAGGCCAG	<u>542</u>
3822941	ACGTTGGATGTATAATAAACTGATAGTTGC	<u>543</u>	ACGTTGGATGCTCTGTACTTAGGACACACG	<u>544</u>
3948760	ACGTTGGATGTCCACTTGTACAGAATGGAG	<u>545</u>	ACGTTGGATGTCCCACTCAAACTTTTGC	<u>546</u>

Please amend Table 16 on pages 95-97 as follows:

**TABLE 16**

dbSNP rs#	Extend Primer	SEQ ID NO.	Term Mix
LAMA4_SNP5	ATTGCTTACGCAACACCAC	<u>547</u>	ACG
LAMA4_SNP6	AGATGGAGAGAATGCCAC	<u>548</u>	CGT
LAMA4_SNP4	GCAAGTGGGCATTTCGACCA	<u>549</u>	CGT
LAMA4_SNP1	CTTCAAGATGCACAGGGCCAC	<u>550</u>	ACG
1050348	CACTTGACCAGGCCCTTAAC	<u>551</u>	ACG
LAMA4_SNP2	GGCCCGCCTGCATCTGTG	<u>552</u>	ACG
744006	CTTTCTCTCTTTCCAGG	<u>553</u>	ACG
763247	CTTTAATCCCCCACA	<u>554</u>	ACT
764071	AGAACATATATGTTGCATTTTTTT	<u>555</u>	ACT
764587	GAAGGCCTTGCCTGTTA	<u>556</u>	ACT
969138	AGGAAGAGAATCTGATAGCC	<u>557</u>	ACT
971402	AGTTTCTCCCACTTACC	<u>558</u>	ACT
971405	AGGGTAACAGAATGATTAAAA	<u>559</u>	CGT

dbSNP rs#	Extend Primer	SEQ ID NO.	Term Mix
1050348	TTCGGCATCCCTGACAT	<u>560</u>	ACT
1050349	CGTATCTTCAAGATGCACA	<u>561</u>	ACT
1158747	GCAAGTGGGCATTGACCA	<u>562</u>	CGT
1418499	GGGCAGAATTACTGAATCAAG	<u>563</u>	ACT
1480646	CAGCAGACTCTGATGTGGC	<u>564</u>	ACG
1894681	GGGAGCATCTTTGAGC	<u>565</u>	ACT
2032565	CAACAGGAAAAATACATCCA	<u>566</u>	CGT
2032566	CAACCCTAGGAAAACATTT	<u>567</u>	ACT
2032567	TTCTATGATTTTGGATTGAGC	<u>568</u>	ACT
2032568	ACATACTCTGAGGAGAGAAAG	<u>569</u>	ACT
2051649	GAACCCTGGACAAGAAT	<u>570</u>	ACT
2068770	ATGTGGCTCAAACATCCGAA	<u>571</u>	ACT
2072019	TTTGAACACTACAGTTTCTGTTAT	<u>572</u>	ACT
2072020	AAACAATCCATTTAACATACCTA	<u>573</u>	ACG
2072022	GCAAATGAATTCTGGGA	<u>574</u>	ACT
2072026	TGAAAGTCTTTGAGGTGTT	<u>575</u>	ACG
2072029	CCTGGCAATGATCAACCCCC	<u>576</u>	ACT
2157544	CTAAATATTAGCAGACTGAAATAC	<u>577</u>	ACT
2157545	GCTGGCATAAATGAAATTG	<u>578</u>	ACG
2157546	GTGCCAGGTCCCACACT	<u>579</u>	ACT
2157547	GTACACATACAATGATTTTACTC	<u>580</u>	ACT
2157550	TTACATGATGAATATTATGGAAGT	<u>581</u>	ACT
2213838	TTCCAGCATGATTCTAAGACA	<u>582</u>	ACT
2213839	CAACTTGAGATACAGTAAAAATT	<u>583</u>	ACG
2213840	TGAAATGAATTCTCCAATAGAC	<u>584</u>	ACG
2227237	ACCCTCAAGTCCTTTTG	<u>585</u>	ACG
2237238	TCCCAGGACCCTAAAAAAGT	<u>586</u>	CGT
2237241	CAGTATTGCTAATGGGTGTTT	<u>587</u>	ACT
2237242	TGTCTCTAGGGCACTACATATC	<u>588</u>	ACT
2237244	GAAATAATGCTTCAGGGG	<u>589</u>	ACT
2237247	ATGCCTTCTAATGCATTCATTTTA	<u>590</u>	ACG
2237248	CCTAATCACATAAACCAGGAA	<u>591</u>	ACG
2237249	GAAAACAAGAGAGGGAAG	<u>592</u>	ACT
2239849	TGTGACTCCTCATGCTAATC	<u>593</u>	ACG
2239850	CCAGTCAATGCCAGAAA	<u>594</u>	ACT
2269646	CAGTTAGACTGAAACGCACA	<u>595</u>	ACT
2277084	TGTGTCATTTAAATCCTTCA	<u>596</u>	ACT
2282853	GAGCTAGAAGAAACCTGAAAG	<u>597</u>	ACT
2282854	GTTGGTGTCCAAATGGCA	<u>598</u>	ACT
2301512	ACATGAAGACACTACCC	<u>599</u>	ACT
2301513	TGTTCTTGTCCAAAATTACCT	<u>600</u>	ACT
2345808	GACATTTAGGTTATTTCCAAATTT	<u>601</u>	ACT
3734286	CATCAGAGAGAATTGAAGT	<u>602</u>	ACT
3734287	GGAATTCAGGCATACAC	<u>603</u>	ACG

dbSNP rs#	Extend Primer	SEQ ID NO.	Term Mix
3752577	AGAAATAGATGGAGCCAAAAG	<u>604</u>	ACG
3777925	GGATGGGACTGAAACTC	<u>605</u>	ACT
3777926	CTCTGTAATTTTCATGTATGATA	<u>606</u>	ACT
3777927	ATGAGCTCCCTTCACTC	<u>607</u>	ACG
3777928	TGAGCAAGCTAGAGAGTA	<u>608</u>	CGT
3777929	AAGTGGAGAGCATTACAT	<u>609</u>	ACT
3777932	TTTGGCCGACTGAAATG	<u>610</u>	ACT
3777934	GGTCAGAGTGTCACTGGGCTACA	<u>611</u>	ACT
3777941	TCCCAAATTTCTTTTCA	<u>612</u>	ACG
3777942	ACAAGTGAAGGTAGTATTGT	<u>613</u>	CGT
3798357	GCCTGGCATCTGCTAATC	<u>614</u>	ACT
3798359	GCAAAGGCAGAGACTAT	<u>615</u>	ACT
3822941	ACACACGATGTTTCTCCAG	<u>616</u>	ACG
3948760	ACAGTTTATGAGACAGGTA	<u>617</u>	ACT

Please amend Table 19 on pages 102-104 as follows:

**TABLE 19**

dbSNP rs#	Forward PCR primer	SEQ ID NO.	Reverse PCR primer	SEQ ID NO.
54144	ACGTTGGATGAGCAGCCATCACATGATCTG	<u>618</u>	ACGTTGGATGCCAATTGTGTCAAACATTTAATGAA	<u>619</u>
183535	ACGTTGGATGTGGTCTAAGTCCTGCACAAG	<u>620</u>	ACGTTGGATGGACAGAAAGAGTGTGCAGTC	<u>621</u>
236104	ACGTTGGATGCTCCCTGAACTTCCCATTTT	<u>622</u>	ACGTTGGATGCAGGGAGCTTACTACAAAGC	<u>623</u>
236105	ACGTTGGATGGGTAGCCACATTGACACAG	<u>624</u>	ACGTTGGATGAAGTGGCTGGAAACCAATG	<u>625</u>
236113	ACGTTGGATGGCTAATACATCCTAAAGGAAC	<u>626</u>	ACGTTGGATGCTTTATTGGAAATCTGTTCCG	<u>627</u>
236119	ACGTTGGATGTTTCTTCTGTCTCACAGGC	<u>628</u>	ACGTTGGATGCTGTAGATTTTCTTTTGGC	<u>629</u>
236120	ACGTTGGATGCAGGATAATGATCATCCCTG	<u>630</u>	ACGTTGGATGACTGGCACAATTAGTGTCTG	<u>631</u>
236122	ACGTTGGATGTAGCTATCCATTGTTGAGG	<u>632</u>	ACGTTGGATGGCTAAAGTCTGAAACACTAG	<u>633</u>
236143	ACGTTGGATGCCTACCCCAAATAGGTAAG	<u>634</u>	ACGTTGGATGAGGAAGTAAGTTTGGGAGG	<u>635</u>
236145	ACGTTGGATGAGAATGTGAGCAAGGGATGC	<u>636</u>	ACGTTGGATGAATGGCACAGCTATCCTCAG	<u>637</u>
236146	ACGTTGGATGGTAAATCTGTATCTCCGCC	<u>638</u>	ACGTTGGATGGACTTGATTACGTGACCTGG	<u>639</u>
236149	ACGTTGGATGCCAATGATCAAACCTGAAATCG	<u>640</u>	ACGTTGGATGGGACTGGATTAGATGAATTC	<u>641</u>
236160	ACGTTGGATGCACCCACAGCTATCTGAGTT	<u>642</u>	ACGTTGGATGTCCAAAAGGAGTGGGTAGAG	<u>643</u>
236162	ACGTTGGATGAATGGAGTGTTCATGTTG	<u>644</u>	ACGTTGGATGCATGGATTTTAGGACATGCG	<u>645</u>
236163	ACGTTGGATGGCCAAAATAGCCTTTTCTC	<u>646</u>	ACGTTGGATGAAACAACATGCAAACTCC	<u>647</u>
236164	ACGTTGGATGTTGCAAGCTGGTGTACACA	<u>648</u>	ACGTTGGATGAGACCAGCCACTACTGATTC	<u>649</u>
236166	ACGTTGGATGCTCCTGTCATAGAATAGGCC	<u>650</u>	ACGTTGGATGGCATAGCACATGCTATTTGG	<u>651</u>
236167	ACGTTGGATGATCAAAGTCTTGTGCAGGAC	<u>652</u>	ACGTTGGATGGCACTTTAGGCACATTTGAC	<u>653</u>
236176	ACGTTGGATGGCATAGATAGCTTAATCATGG	<u>654</u>	ACGTTGGATGAAACCAATAGAAGCAGGTTG	<u>655</u>
236177	ACGTTGGATGCATTTGAGGATCGGAGTGAG	<u>656</u>	ACGTTGGATGCCCTGTGTCTGCAAATTTGG	<u>657</u>
236180	ACGTTGGATGCCTAGCACTTGGAATTAGG	<u>658</u>	ACGTTGGATGGATGCGTGAAATAGATGCTC	<u>659</u>
236182	ACGTTGGATGCTCTCTAGTTCTTTGTTGC	<u>660</u>	ACGTTGGATGATTTCAAAGTGGTCTCCAC	<u>661</u>
236183	ACGTTGGATGTAAAAGAGAAATCCACAGG	<u>662</u>	ACGTTGGATGCTCAGCAGATGTTAGTTTC	<u>663</u>

dbSNP rs#	Forward PCR primer	SEQ ID NO.	Reverse PCR primer	SEQ ID NO.
236184	ACGTTGGATGCTAGGGACCCAGCAAATAAC	<u>664</u>	ACGTTGGATGACCATCTGAGGGAAATCCTG	<u>665</u>
379418	ACGTTGGATGTCTGGCCTCTAAGCTAAAGG	<u>666</u>	ACGTTGGATGCAGTGGTGTGATAGATGGG	<u>667</u>
400735	ACGTTGGATGACCTTCTCAGGTTACGTTT	<u>668</u>	ACGTTGGATGAAGGGCACCATGCCATTAAC	<u>669</u>
409035	ACGTTGGATGTGCTATGGGTATGCAAGGTG	<u>670</u>	ACGTTGGATGGGTTGTGAAGGAGCGAGAG	<u>671</u>
440005	ACGTTGGATGATGGCTCTAAAAAGCTGTCC	<u>672</u>	ACGTTGGATGCAGCCTTCTTCTGATACAG	<u>673</u>
446614	ACGTTGGATGTAAAGCCCAGGGCTAAAGAC	<u>674</u>	ACGTTGGATGAGAAGATGGCCAGAAAGGAG	<u>675</u>
451417	ACGTTGGATGCCAGAGTCATCGTTATCACC	<u>676</u>	ACGTTGGATGCCTCACTAAGGATTCAACCC	<u>677</u>
454422	ACGTTGGATGCAGCTTTTGAAGCACTTTCC	<u>678</u>	ACGTTGGATGAGCACCTTGCATACCCATAG	<u>679</u>
500277	ACGTTGGATGAGTTTCCCTACGCTCTCTC	<u>680</u>	ACGTTGGATGAGTAACCTAGCCTCTGCTC	<u>681</u>
540717	ACGTTGGATGCATCCAAACCCAAACAATCC	<u>682</u>	ACGTTGGATGAGAGAGGTGTGTGACTTTTC	<u>683</u>
546106	ACGTTGGATGTTATAGCACTGATGGGCTCC	<u>684</u>	ACGTTGGATGCTGTGACATACTTTCCAGG	<u>685</u>
571039	ACGTTGGATGATTCTGTAGCAGGCAACTG	<u>686</u>	ACGTTGGATGGCTAGCTCTACTCTCTTCTC	<u>687</u>
1039542	ACGTTGGATGTGAGGTTCTGTCTGAACACC	<u>688</u>	ACGTTGGATGTGGCTGCAATGGCTAACTTC	<u>689</u>
1039543	ACGTTGGATGATCTGACTCAGAAGAAGAGC	<u>690</u>	ACGTTGGATGGGCATTATAGGAGGTATGC	<u>691</u>
1343180	ACGTTGGATGAGATGGCAACAGCAACACAG	<u>692</u>	ACGTTGGATGCCAACAGCAGCTTCAACAATC	<u>693</u>
CHGB_SNP2	ACGTTGGATGAAATGGTATGTTTGTGTTCC	<u>694</u>	ACGTTGGATGTAATTTTTCCCCCCCAAATC	<u>695</u>
rs384578	ACGTTGGATGAAATGGTATGTTTGTGTTCC	<u>696</u>	ACGTTGGATGTAATTTTTCCCCCCCAAATC	<u>697</u>
rs742710	ACGTTGGATGAGAAAGTGAGGAAGAGAGGG	<u>698</u>	ACGTTGGATGATGAAATAGGCACGTGGCTC	<u>699</u>
rs742711	ACGTTGGATGATGAAATAGGCACGTGGCTC	<u>700</u>	ACGTTGGATGAGAAAGTGAGGAAGAGAGGG	<u>701</u>
rs881118	ACGTTGGATGTATAGCTGAAGCCTGCTTTC	<u>702</u>	ACGTTGGATGCAGTGAAGAGAAACACCTTG	<u>703</u>
rs910122	ACGTTGGATGAAGGTGTTTCTCTTCACTGC	<u>704</u>	ACGTTGGATGGGAGGGAGAGAACTATCAAA	<u>705</u>
CHGB_SNP1	ACGTTGGATGTCACCTCTGAGGTCTTGAGC	<u>706</u>	ACGTTGGATGTAAAGGTTATCCAGGCGTC	<u>707</u>
180477	ACGTTGGATGGGAAGTAATTCTCTGGGCTG	<u>708</u>	ACGTTGGATGAAGTGATCCTCCACCTCAG	<u>709</u>
236102	ACGTTGGATGCAGCCTGTTCTCTCTGAAAC	<u>710</u>	ACGTTGGATGGGATGCAAGAGGTTGTAGAG	<u>711</u>
236103	ACGTTGGATGCCTGTTTAAATCGTGGCTCC	<u>712</u>	ACGTTGGATGAAACATAAGGAAGCTGAGGC	<u>713</u>
236106	ACGTTGGATGCAAGCCTTTCAGCTCTATC	<u>714</u>	ACGTTGGATGCCTCATAAGGGCCTTTGTAC	<u>715</u>
236107	ACGTTGGATGGAAGTTTACGTAACTCTAG	<u>716</u>	ACGTTGGATGGTGTGTGGCTTATTGTAGAG	<u>717</u>
236108	ACGTTGGATGGTATTACTGTTGAACCCAG	<u>718</u>	ACGTTGGATGATGTGGGTAAAGTTGTGCACC	<u>719</u>
236109	ACGTTGGATGAGATTACAGGCACTAGCCAC	<u>720</u>	ACGTTGGATGTCTGGGCAACATGGTGAAAC	<u>721</u>
236110	ACGTTGGATGATCGATCCAATGTTGACTGC	<u>722</u>	ACGTTGGATGTTTCAGAACAAACCCACAG	<u>723</u>
236111	ACGTTGGATGTTTCAAGGAGCAGCAACATC	<u>724</u>	ACGTTGGATGTATGCTGTGACCTCTCCAAC	<u>725</u>
236112	ACGTTGGATGAACGAGGTCAGGAGATCAAG	<u>726</u>	ACGTTGGATGCACGCCCGGCTAATTTTTTC	<u>727</u>
236114	ACGTTGGATGGAACCAAGGAAGTCTGACTC	<u>728</u>	ACGTTGGATGAAAGCTACCAGTCATGTGCC	<u>729</u>
236115	ACGTTGGATGATCAAAGTCCATACTGCAGG	<u>730</u>	ACGTTGGATGTATGATCGTAGGCACTGGAG	<u>731</u>
236116	ACGTTGGATGTGTTGTATTACCTGACCCTG	<u>732</u>	ACGTTGGATGAAGCAAACCACTGAGTGCC	<u>733</u>
236117	ACGTTGGATGCAATGGTGTGATCTTGCTC	<u>734</u>	ACGTTGGATGATTAGCCAAGTGTGGCAGTG	<u>735</u>
236118	ACGTTGGATGGGTTGAGTATCCCTAATCTG	<u>736</u>	ACGTTGGATGCTTTCAAGTGTGTCAGGG	<u>737</u>
236121	ACGTTGGATGCAAGCTATGTCACAGTTTAAG	<u>738</u>	ACGTTGGATGAGTCTTTGCCCTTAATGTGG	<u>739</u>
236123	ACGTTGGATGATAATAAATTTAGACTTCAC	<u>740</u>	ACGTTGGATGAAAATACTGGTGCAGGCCAGA	<u>741</u>
236124	ACGTTGGATGGAATTTTGTGTTGGCTCACGG	<u>742</u>	ACGTTGGATGATTGCTGCTGGAAGCTTACC	<u>743</u>
236125	ACGTTGGATGCCATGCCTGAGTTATTTGC	<u>744</u>	ACGTTGGATGATGGAGAAAGTAGATAGTAG	<u>745</u>
236148	ACGTTGGATGTAAGCCCAAGTGCTGTTGAG	<u>746</u>	ACGTTGGATGCTCAGAAGTCTGATGTGTATC	<u>747</u>
236151	ACGTTGGATGTTGGCCTTTAGACTCCTGGG	<u>748</u>	ACGTTGGATGAGAAGACACATAGCCGAGAG	<u>749</u>
236152	ACGTTGGATGAATAAAGGGTTATCCAGGCG	<u>750</u>	ACGTTGGATGTGGAGCCCTGTATTCTTCAC	<u>751</u>
236154	ACGTTGGATGTTCTGACAAGTTCCTGGCTG	<u>752</u>	ACGTTGGATGGCTGCATTAGTCAACCTACC	<u>753</u>
236155	ACGTTGGATGGGTAGGTTGACTAATGCAGC	<u>754</u>	ACGTTGGATGTGAGGTCCCGAACCAATTTTC	<u>755</u>

dbSNP rs#	Forward PCR primer	SEQ ID NO.	Reverse PCR primer	SEQ ID NO.
236158	ACGTTGGATGAACTCCTGACCTCGTGATC	<u>756</u>	ACGTTGGATGCTCCTTAAGAAGATAGAGGC	<u>757</u>
236159	ACGTTGGATGGTCTCAAACCTCCTGACCTCG	<u>758</u>	ACGTTGGATGAAGAAGATAGAGGCAGCTGG	<u>759</u>
236161	ACGTTGGATGGATGTTGCCTCTAGGCTAGT	<u>760</u>	ACGTTGGATGCACCATCTGACCTGTGCTAC	<u>761</u>
236165	ACGTTGGATGAAAATTAGCCATGCGTGGTG	<u>762</u>	ACGTTGGATGTTCAAGCGGTTCTCCTGCCT	<u>763</u>
236168	ACGTTGGATGTCTATGTCTCCACTTGCATG	<u>764</u>	ACGTTGGATGACACATTTGCACACACACAC	<u>765</u>
236169	ACGTTGGATGGTGACTAGAATTTTGTGTAC	<u>766</u>	ACGTTGGATGGTGTGTGCAATGTGTATCC	<u>767</u>
236171	ACGTTGGATGAACCTCCCACCTTGGCTTTC	<u>768</u>	ACGTTGGATGGGTCCATTTAAAGCCTGGTG	<u>769</u>
236173	ACGTTGGATGATCAACCTGCACCACCAATC	<u>770</u>	ACGTTGGATGGCTAAGATGGAAGTTGAAGTG	<u>771</u>
236175	ACGTTGGATGTTCTCCATCACTGCATCAAG	<u>772</u>	ACGTTGGATGGTTATAGCCTGTATCGCAGC	<u>773</u>
236179	ACGTTGGATGCTAAATAACAGGTTTGACTC	<u>774</u>	ACGTTGGATGGAACATTGAGAGTATCTTAT	<u>775</u>
236181	ACGTTGGATGGTGAACATGTCTTTTGTGTAC	<u>776</u>	ACGTTGGATGGGTAGAACCAGCTGTTTTTCG	<u>777</u>
236185	ACGTTGGATGGGGTCACTTGAATTCAGGAG	<u>778</u>	ACGTTGGATGACTGCAACCAGCTGCCTCTTG	<u>779</u>
236187	ACGTTGGATGTAGTGAACTCTGTCTCTGC	<u>780</u>	ACGTTGGATGACCTGCACCAACCTTAAACC	<u>781</u>
236189	ACGTTGGATGTGGATTTACAGAAAACTGC	<u>782</u>	ACGTTGGATGCTGTGAGACACTAGGGATAC	<u>783</u>
364652	ACGTTGGATGTTTCTGCTGGGCTGTGATAG	<u>784</u>	ACGTTGGATGGGAAATGCTCAGCATGTAC	<u>785</u>
394604	ACGTTGGATGTATTTGGGATGGTGTGGGC	<u>786</u>	ACGTTGGATGGAACCAGGTCTTCTTGATG	<u>787</u>
403727	ACGTTGGATGTCACCTGAACCCAGGAGATG	<u>788</u>	ACGTTGGATGGTTTTGAGACAGAGTTTCGC	<u>789</u>
446658	ACGTTGGATGTCACGTGAGTTCACTCCTTC	<u>790</u>	ACGTTGGATGGTTCCTGCTTACCAGTTCG	<u>791</u>
451571	ACGTTGGATGTTCTGGGTGGTTGCTCTCTG	<u>792</u>	ACGTTGGATGAAGTAATGGCACACTGGAGG	<u>793</u>
452749	ACGTTGGATGTCCTACTCCAGTATGACCTC	<u>794</u>	ACGTTGGATGGAAGTCCCAACCCCTAATAC	<u>795</u>
454328	ACGTTGGATGTGCAAACTGGTGCATCAGAG	<u>796</u>	ACGTTGGATGCCTGGTATTTTCATATCGCC	<u>797</u>
742710	ACGTTGGATGGGCACATGGATATGGTGAAG	<u>798</u>	ACGTTGGATGTGCCTCTGTGATGGTGTCCC	<u>799</u>
742711	ACGTTGGATGGGCACATGGATATGGTGAAG	<u>800</u>	ACGTTGGATGAAATAGGCACGTGGCTCCCC	<u>801</u>
881118	ACGTTGGATGTATAGCTGAAGCCTGCTTTC	<u>802</u>	ACGTTGGATGTAGCAGTGAAGAGAAACACC	<u>803</u>
910122	ACGTTGGATGGTTTCTCTTCACTGCTATCT	<u>804</u>	ACGTTGGATGACACGCCATTCTGAGAAGAG	<u>805</u>
1005517	ACGTTGGATGTAATAATGTCAGTGGTAGAG	<u>806</u>	ACGTTGGATGTGAAGACACTGGCTGAAAC	<u>807</u>
1394095	ACGTTGGATGTTCACTGATCCAACCTCCGC	<u>808</u>	ACGTTGGATGCCAAACTCCTTGATTGGC	<u>809</u>
2206817	ACGTTGGATGGCAGAAACCCAGTGAAGTAG	<u>810</u>	ACGTTGGATGAAACCAGTTACTAACTGTAG	<u>811</u>
2268339	ACGTTGGATGATCCTGGAGATGTTATACCC	<u>812</u>	ACGTTGGATGCCTGGTGTGTTAAGGCTCAAC	<u>813</u>
2300427	ACGTTGGATGAGATTACAGGCATGAGCCAC	<u>814</u>	ACGTTGGATGAAGTTAAATAAGCTCTTCTG	<u>815</u>
2326680	ACGTTGGATGAGGCTAATTCCTTCTCCTGG	<u>816</u>	ACGTTGGATGTCGTGCAACATCACTGTGTC	<u>817</u>
2423131	ACGTTGGATGATGCCTGCCTTACGAGAATG	<u>818</u>	ACGTTGGATGTGTCACTAGAATATGTGAAC	<u>819</u>
2876003	ACGTTGGATGGCAAAGACTAAGAGTCTGTAG	<u>820</u>	ACGTTGGATGCTGAGCCAGATTCTGACATT	<u>821</u>
3761873	ACGTTGGATGCTGTCCCTCTTAGAGCAATG	<u>822</u>	ACGTTGGATGCTATGAGCCTTTGACACAGC	<u>823</u>

Please amend Table 20 on pages 104-107 as follows:

TABLE 20

dbSNP rs#	Extend Primer	SEQ ID NO.	Term Mix
54144	CTGAAAGACACCATTTAT	<u>824</u>	CGT
183535	GTCCTGCACAAGACTTTGATA	<u>825</u>	ACG
236104	CCCATTTTCATACCACCTATCA	<u>826</u>	ACG
236105	CTCCCTCCTCCTTGAGACC	<u>827</u>	ACT

dbSNP rs#	Extend Primer	SEQ ID NO.	Term Mix
236113	GATCATTTCATGAAACAGATTCTA	<u>828</u>	ACG
236119	TGTTCTCAAGGAAAAAGAAAAA	<u>829</u>	ACT
236120	GATCATCCCTGGGAATGGTA	<u>830</u>	ACT
236122	GAGGCAGGGAATCAGCAATA	<u>831</u>	ACT
236143	ACCCCAAATAGGTAAAGATCTGT	<u>832</u>	ACT
236145	CTCCTGCACTGAGCTCCTAT	<u>833</u>	ACT
236146	TATCTCCGCCCTAAGAATACT	<u>834</u>	ACT
236149	GAAATATTAGAATTTAGAGGCAG	<u>835</u>	ACT
236160	GAGTTTTTATGAGAAAGGGCAA	<u>836</u>	ACT
236162	GTTGTTTTAAAGTGTGGTTGTAA	<u>837</u>	ACT
236163	CAATACATAGTGAAGCTTTGGG	<u>838</u>	ACT
236164	CTGGTGTCACACACACATGTA	<u>839</u>	ACT
236166	GGAACATCTCAGAAAAAAA	<u>840</u>	CGT
236167	CTTGTGCAGGACTTAGACCA	<u>841</u>	ACT
236176	ATAGGCTTTCTTGTGTATTTGCA	<u>842</u>	ACT
236177	AGTGAGGGGAAGCAGAGTC	<u>843</u>	CGT
236180	ACTTGGGAATTAGGTGGAGG	<u>844</u>	ACG
236182	G TTCAGAGATAATGCTGCTGATC	<u>845</u>	CGT
236183	GAAATCCCACAGGAACACAAT	<u>846</u>	ACT
236184	CCCAGCAAATAACAAGAATTGGCC	<u>847</u>	ACT
379418	CTTAAGCCAAGACAAACA	<u>848</u>	ACG
400735	TTCATCTTCCACCCTGGCC	<u>849</u>	ACT
409035	TGCTTTGCTTGCCTCCACA	<u>850</u>	ACG
440005	GCTGTCCTTTTACAAGGAAAT	<u>851</u>	ACT
446614	TAAAGACTGAAGCTTTCACAGT	<u>852</u>	ACT
451417	CGTTATCACCATTGGGCTTTA	<u>853</u>	CGT
454422	GATCCTTCTCACTTACTGTTC	<u>854</u>	ACT
500277	GATTATGCCCTGAGGTCTTTTG	<u>855</u>	ACT
540717	AACCCAACAAATCCTAGGGC	<u>856</u>	ACG
546106	GATGGGCTCCCCATATGAC	<u>857</u>	ACT
571039	TGTAGCAGGCAACTGAGCAGGAGA	<u>858</u>	CGT
1039542	GAACACCCTCCAGCACAAG	<u>859</u>	ACT
1039543	AGAAGAGCTTTCATCTGTGTG	<u>860</u>	ACT
1343180	CACAGCCCTCCATTACAGC	<u>861</u>	ACT
CHGB_SNP2	GTATGTTTGTGTTCCATTTGCA	<u>862</u>	ACT
rs384578	GTATGTTTGTGTTCCATTTGCA	<u>863</u>	ACT
rs742710	GAAGAGAGGGGCCTTGAGC	<u>864</u>	ACG
rs742711	TCCCCTGCCTCTGTGATGG	<u>865</u>	ACG
rs881118	CTGAAGCCTGCTTTCTTTCAT	<u>866</u>	ACT
rs910122	CTTCACTGCTATCTTCCCCT	<u>867</u>	ACG
CHGB_SNP1	TCTTGGAGCCCTGTATTC	<u>868</u>	ACG
180477	GTGGCTCACGCCTATAA	<u>869</u>	CGT
236102	GTTCTCTCTGAAACCTGTTA	<u>870</u>	ACT
236103	CATGCACCAGCTGTGTG	<u>871</u>	ACT

dbSNP rs#	Extend Primer	SEQ ID NO.	Term Mix
236106	GAACATTCCAGGCAAAC	872	ACT
236107	GTTCTGGTAAAAAAAAAGTTTG	873	CGT
236108	CTGTTGAACCCAGAAATATC	874	ACT
236109	CACTAGCCACCACGCC	875	ACT
236110	CAATGTTGACTGCATTGACT	876	ACT
236111	GTTCTGAGGTTACCAGA	877	ACT
236112	ACCATCCTAGCTAACACG	878	ACT
236114	AATCACAAGTACCTCGAATAC	879	ACT
236115	AGGTAAGTGGCAGAACT	880	ACT
236116	TCAGGCAAGCACAGTACAAA	881	ACG
236117	GCCTCCAAGTAGCTGG	882	ACT
236118	CCCTAATCTGAAAATCTGAAATCT	883	ACT
236121	AAGAATTTTCTTATTCAACTGTC	884	ACT
236123	CTTCACTAAATAAAAATGTGTCC	885	ACG
236124	GTTTGGCTCACGGAATTAT	886	ACG
236125	TTAACTCCTAGCTTTTAAAGA	887	ACG
236148	AATGTGGCTGGTCCGATCTG	888	ACT
236151	ATTCTCCTGGCTCCCTG	889	ACG
236152	TTATCCAGGCGTCCAGG	890	ACT
236154	TGATGCCACTGGTCAGG	891	ACT
236155	AATTCCCCTTTGCACTCAT	892	ACT
236158	TTACAACCTGTAAGCCACCGC	893	ACT
236159	CCTGACCTCGTGATCTG	894	ACG
236161	CTCTAGGCTAGTATTATTTTTGT	895	ACT
236165	TAACGCCTGTAATCCCA	896	ACT
236168	ACTTGCATGTGTATGTATATATCT	897	ACT
236169	ATGTCTTTTCCCCCTCT	898	ACT
236171	AAGTGCTGGGATTACAGATA	899	ACG
236173	TTGCTCCCTCTCCCCTT	900	ACT
236175	CACTGCATCAAGATGGGCC	901	ACG
236179	CAGGTTTGACTCAAACTTTAA	902	ACG
236181	ATGTCTTTTCTGTACTGGATA	903	ACT
236185	TACTGAGGAGGCTGAGG	904	ACG
236187	AACTCTGTCTCTGCAAAAAAA	905	ACT
236189	CAGAAAAACTGCACAAAAA	906	ACT
364652	CTGTGATAGGAAAAAAGGAA	907	ACT
394604	CCAGCAGAGGCAAAAATAAGA	908	ACG
403727	TGCCACTGCACTCCAGCCT	909	ACT
446658	AGGAAAAGAGAGGCAAAC	910	ACT
451571	GCTGTCTTCATTCTCTTGT	911	ACG
452749	CCTATTTTCAAGTCAGGT	912	ACG
454328	CCTAAACAGCAGTTTTAGTACAT	913	ACG
742710	AGAGAGGGGCCTTGAGC	914	ACG
742711	TGAGCCGGGAAAGGGAC	915	ACT

dbSNP rs#	Extend Primer	<u>SEQ ID NO.</u>	Term Mix
881118	TGAAGCCTGCTTTCTTTCAT	<u>916</u>	ACT
910122	CTTCACTGCTATCTTCCCCT	<u>917</u>	ACG
1005517	GGTAGAGAATGTAATAACAGT	<u>918</u>	ACT
1394095	ACGAGAGGGGCGGGGCG	<u>919</u>	ACT
2206817	TTAGAGCAGGGCAGGGG	<u>920</u>	ACT
2268339	CAGAATGCTGAGATGGC	<u>921</u>	ACT
2300427	CACCCGGCCGGGAAAAT	<u>922</u>	ACT
2326680	TGGAATTTGAGAAGGCCTG	<u>923</u>	ACT
2423131	GCCTTACGAGAATGTTATTT	<u>924</u>	CGT
2876003	AGAGTCTGTAGTCCCAA	<u>925</u>	ACT
3761873	TGTATTTCCATAGTAATTTGCTC	<u>926</u>	ACT

Please amend Table 22 on page 110 as follows:

**TABLE 22**

dbSNP rs#	First PCR primer	<u>SEQ ID NO.</u>	Second PCR primer	<u>SEQ ID NO.</u>
742710	ACGTTGGATGGACATGAAATAGGCACGTGG	<u>927</u>	ACGTTGGATGAGAAAGTGAGGAAGAGAGGG	<u>928</u>
236110	ACGTTGGATGTCACCTCTGTTTCTACTAACC	<u>929</u>	ACGTTGGATGATCGATCCAATGTTGACTGC	<u>930</u>

Please amend Table 23 on page 110 as follows:

**TABLE 23**

dbSNP rs#	Extend Primer	<u>SEQ ID NO.</u>	Term Mix
742710	AGAGAGGGGCCTTGAGC	<u>931</u>	ACG
236110	AATGTTGACTGCATTGACT	<u>932</u>	ACT

Please amend Table 26 on pages 112-113 as follows:

**TABLE 26**

dbSNP rs#	Forward PCR primer	<u>SEQ ID NO.</u>	Reverse PCR primer	<u>SEQ ID NO.</u>
752373	ACGTTGGATGTATCACAAGAACAGCATGGG	<u>933</u>	ACGTTGGATGATGGTTTCTGTAATCCCCC	<u>934</u>
763470	ACGTTGGATGAAGAGGAGTGGCTGATAATG	<u>935</u>	ACGTTGGATGAAGCAGAAAACCTTTGTGCCG	<u>936</u>
763471	ACGTTGGATGGGCAGGTCATGGATTATTG	<u>937</u>	ACGTTGGATGCATCATTCTCTGTGAGGCG	<u>938</u>
763471	ACGTTGGATGGTGAAGAGCTCTGAAATGCC	<u>939</u>	ACGTTGGATGTAACCTCTGTGTGGCTTCT	<u>940</u>
899011	ACGTTGGATGAAGGTGGAGCCTGCCTCAAG	<u>941</u>	ACGTTGGATGAGCTTTGCACCCTGTGATGC	<u>942</u>



dbSNP rs#	Forward PCR primer	SEQ ID NO.	Reverse PCR primer	SEQ ID NO.
899011	ACGTTGGATGAAGGTGGAGCCTGCCTCAAG	943	ACGTTGGATGAGCTTTGCACCCTGTGATGC	944
922359	ACGTTGGATGTCAAGCGATCCTCTTCAGCC	945	ACGTTGGATGATTCATTCCAAGACCGGGTG	946
930672	ACGTTGGATGGTGGGTACTTGGTCCATAC	947	ACGTTGGATGACAGAGCAAGACCTTCTCTC	948
936513	ACGTTGGATGGTATGAAGTTCTTTGCAGAGT	949	ACGTTGGATGTACTACTGCACTCCAGCCTG	950
1375999	ACGTTGGATGCCATTCTTTACCTTGAACC	951	ACGTTGGATGCAGAGACTTGCAGAATGGAC	952
1376000	ACGTTGGATGATAGCTGATGGTGTGCTGAG	953	ACGTTGGATGAAGCTTGCCTCCCAAGTTAG	954
1376001	ACGTTGGATGCAAACAATCCATTACACAG	955	ACGTTGGATGCAGTACAACAGGGTGGCTATC	956
1450270	ACGTTGGATGCCATATCACATGGATATGAGG	957	ACGTTGGATGCATGGCTTCTCTTACACCTG	958
1450273	ACGTTGGATGGCTGCATATAAGAGACACATG	959	ACGTTGGATGGCCACTCCAGCTTCTTTTG	960
1450274	ACGTTGGATGTGAGAGGAAGCCTGGTGTTG	961	ACGTTGGATGAAGCTTGCCTCCCAAGTTAG	962
1562781	ACGTTGGATGTATGTCTCCTGCCTTCTTCC	963	ACGTTGGATGGGAAAGAAGCTTGATGTGGC	964
2071019	ACGTTGGATGGGTAACAACCTGACCCATCC	965	ACGTTGGATGCCTGGGAAATAACCATGAGC	966
2071020	ACGTTGGATGAATTCACAGCTAAGCCTCCC	967	ACGTTGGATGTTGAGCTCCAGCTGCATGTT	968
2198008	ACGTTGGATGGTAGAAGTTTAGTATATGATG	969	ACGTTGGATGCCCTGTCAATTCAAATACCG	970
2198009	ACGTTGGATGCTTGTGCCAATCCACAATG	971	ACGTTGGATGGCAGAAGTCTAGCCAAGAAC	972
2198010	ACGTTGGATGCTTGTGCCAATCCACAATG	973	ACGTTGGATGAATGCAGAAGTCTAGCCAAG	974
2403330	ACGTTGGATGTAAGTCTGAGACCCAAGGAC	975	ACGTTGGATGCCAGACAGTTGTGTGTTGAC	976
2923115	ACGTTGGATGGGATTACCCTAAGGATCCAC	977	ACGTTGGATGAGAGGAATTCAGTTGCTGCC	978
2923117	ACGTTGGATGTTGAGTCCAAGAGGTTGAGG	979	ACGTTGGATGAGACAGTCTTGTCTGTAC	980
2957666	ACGTTGGATGTACTTGGGAGACTGAGGTAG	981	ACGTTGGATGGCAGTAGTGGTGTGATCATGG	982
2957667	ACGTTGGATGAGAAATGGTCTTCCCACTCC	983	ACGTTGGATGATGGATTACGGAAGGAATAC	984
2957669	ACGTTGGATGTACTGAGACTCCCAGCATTG	985	ACGTTGGATGGTGTGCAGCTTAGTAAGTGC	986
2957670	ACGTTGGATGTCATGTGATTCTCCTGCCTC	987	ACGTTGGATGGTGAACCCCGTCTCTACTA	988
2957675	ACGTTGGATGAGAATGACTTGGGTTTTGGG	989	ACGTTGGATGCAGTGAGTTGTGACAGCACC	990
2957677	ACGTTGGATGGTCTTTCTCAATCCCAGCAC	991	ACGTTGGATGACGAGATCTCCTTGTGTTGC	992
2957678	ACGTTGGATGAAGACCTCAGGATGTGATGC	993	ACGTTGGATGATGACCCCGTTTCTTGCAC	994
2957679	ACGTTGGATGAGTTCGTCAGAGAGATGTCC	995	ACGTTGGATGGAGCACATGGATTACAGAG	996
3741043	ACGTTGGATGGACATCAGAAGCTAATTGGG	997	ACGTTGGATGCTTCTTAATGGTAGGGCCAG	998
3741044	ACGTTGGATGTTTGTATGCAGAGGTGGCC	999	ACGTTGGATGTAGATGGGCTTCTTGGAC	1000
3741045	ACGTTGGATGAAGTGAAGCTTCAGACTTCCC	1001	ACGTTGGATGTCAGACCTGTAGATGGGCTC	1002
3891547	ACGTTGGATGGCCATCAAGTTTGTGGCAAT	1003	ACGTTGGATGAAGCTATATGGAGCCCAAGG	1004

Please amend Table 27 on pages 113-114 as follows:

**TABLE 27**

dbSNP rs#	Extend Primer	SEQ ID NO.	Term Mix
752373	GGGACCAGGTGGAGATAA	1005	ACG
763470	AGAAAACTTTGTGCCGTTTCT	1006	ACT
763471	CCAGGCAGCAACTCCCT	1007	ACT
763471	CTCCAAGCAGTAAAGATGTTT	1008	CGT
899011	TTGGTTTTAGAGGATTGCTCC	1009	ACG
899011	GGTTTTAGAGGATTGCTCC	1010	ACG
922359	TCATGCCTATAATCCAAGCA	1011	ACT

dbSNP rs#	Extend Primer	SEQ ID NO.	Term Mix
930672	AAAAGCAAGAAACAACAGCA	<u>1012</u>	CGT
936513	AGACAGGGTGAGACCTC	<u>1013</u>	ACT
1375999	TATGCTGCATATAAGAGACACAT	<u>1014</u>	ACT
1376000	ACATATTTCTGGTCTCCA	<u>1015</u>	ACT
1376001	ACAGGGTGGCTATCATTAAAC	<u>1016</u>	ACT
1450270	TGTGAAGTGAAGTCAAG	<u>1017</u>	ACT
1450273	CTTGAACTATTTCTGTTTTT	<u>1018</u>	ACT
1450274	CTCCCAAGTTAGATTGGTTA	<u>1019</u>	ACT
1562781	CTTGATGTGGCTGAAGT	<u>1020</u>	CGT
2071019	GTGCTGTTGAAATCCTGGG	<u>1021</u>	ACT
2071020	AACCCTTTGTCAGCTGAA	<u>1022</u>	ACT
2198008	CAGGCTTTTGGCTAAGATCAAG	<u>1023</u>	ACT
2198009	AGTGAAGAATTTTCCCTATTAGAT	<u>1024</u>	ACT
2198010	AAGTCTAGCCAAGAACATTT	<u>1025</u>	ACT
2403330	CTCCCACTCCTCTCATCAG	<u>1026</u>	ACT
2923115	GTTGCTGCCCCTTTCC	<u>1027</u>	ACG
2923117	CTCTGTCACCCATGCTGGA	<u>1028</u>	ACT
2957666	ACCTCCTGGGCTCAAGC	<u>1029</u>	ACT
2957667	GGAAGGAATACTAAAGAACAA	<u>1030</u>	CGT
2957669	AGTAAGTGCTGTGATGCACC	<u>1031</u>	ACT
2957670	TAGCTGAGCATGGTGGC	<u>1032</u>	ACT
2957675	AGCATGGGTGACAGAGC	<u>1033</u>	ACT
2957677	TGTGTTGCCAGACTAG	<u>1034</u>	ACT
2957678	ACTCCCTGGCCTCCCT	<u>1035</u>	ACG
2957679	TCACAGAGCTGCCAGGG	<u>1036</u>	ACT
3741043	CAAAATTCTCCTGCCAC	<u>1037</u>	ACT
3741044	GGGGAAGGGAAGTCTG	<u>1038</u>	CGT
3741045	TAGATGGGCTCTTCTTG	<u>1039</u>	ACT
3891547	TATGGAGCCCAAGGATGACC	<u>1040</u>	ACT

Please amend Table 30 on pages 118-119 as follows:

TABLE 30

dbSNP rs#	Forward PCR primer	SEQ ID NO.	Reverse PCR primer	SEQ ID NO.
726215	ACGTTGGATGAACTGAGCCCATGAAATGC	<u>1041</u>	ACGTTGGATGAAAACAGCAATTGAGAACAC	<u>1042</u>
966783	ACGTTGGATGCTCCTGAATTTAGCCATAC	<u>1043</u>	ACGTTGGATGTACGCAATAGTTCTGGGAG	<u>1044</u>
998329	ACGTTGGATGGAAGAGCACATTATTTGCTGG	<u>1045</u>	ACGTTGGATGACACACTGGTGTCTTGTGAG	<u>1046</u>
1387472	ACGTTGGATGGAAGGCCCTGAATTGGAAC	<u>1047</u>	ACGTTGGATGGTTCTGCTAGTGTCTCTTC	<u>1048</u>
1484119	ACGTTGGATGGCAGCTACAATCATAAAGGG	<u>1049</u>	ACGTTGGATGTGTGCCCTAATAATGGTTG	<u>1050</u>
1484120	ACGTTGGATGATGGTCATGGCATCCAGTTC	<u>1051</u>	ACGTTGGATGGGCTGGTTTCTGACACTATC	<u>1052</u>
1489479	ACGTTGGATGGGAGCATCAGTCATTTGGG	<u>1053</u>	ACGTTGGATGCACCAGGACATAACATGACG	<u>1054</u>

dbSNP rs#	Forward PCR primer	SEQ ID NO.	Reverse PCR primer	SEQ ID NO.
1489480	ACGTTGGATGGGTTGTGGAGAATCATTAC	<u>1055</u>	ACGTTGGATGGGTGGCAGTAATCTTCACTT	<u>1056</u>
1489481	ACGTTGGATGTCTCTGCAGTTGAGGAGATG	<u>1057</u>	ACGTTGGATGTTGGGAAAGGCCATCAAGTC	<u>1058</u>
1489482	ACGTTGGATGCTCTGGATAAAAGACTCAGC	<u>1059</u>	ACGTTGGATGCCCTTCCAACAGCTATCTGG	<u>1060</u>
1489483	ACGTTGGATGTTGGTTTGTCTATCAATGAAG	<u>1061</u>	ACGTTGGATGGATAGGTGTACACATATAGC	<u>1062</u>
1489486	ACGTTGGATGAAAAACACACCACAGCCCC	<u>1063</u>	ACGTTGGATGCTTCGTATTTGGCTCTGACC	<u>1064</u>
1552280	ACGTTGGATGATGAAAAGTGACACCCATCC	<u>1065</u>	ACGTTGGATGTCTGAAGCTGTTGAATCAGG	<u>1066</u>
1565288	ACGTTGGATGTAGCCAATTGGTGAACACTC	<u>1067</u>	ACGTTGGATGCTGCCAGTCATAAGGCAAAG	<u>1068</u>
1844334	ACGTTGGATGGCCAAGGAACTAATTCCTG	<u>1069</u>	ACGTTGGATGCACTTTGGAAGACAGTTCCG	<u>1070</u>
1872203	ACGTTGGATGGTTGCATTAGCTGTTATTCTC	<u>1071</u>	ACGTTGGATGCCAGCAATTCTATTTTCAGAG	<u>1072</u>
1905520	ACGTTGGATGCATGGTTTATACTTACTTACG	<u>1073</u>	ACGTTGGATGGTTTATTCCTGTTTCCACAC	<u>1074</u>
2029395	ACGTTGGATGGGAGGGAGACAAAGATTAC	<u>1075</u>	ACGTTGGATGGCAACAGTTTCACTTTGGC	<u>1076</u>
2029397	ACGTTGGATGCTCACAGTCTGAAGACTTG	<u>1077</u>	ACGTTGGATGTGGAAGTGAAGGAGAGAAGC	<u>1078</u>
2046777	ACGTTGGATGGGACTTCAAATATGGTTAC	<u>1079</u>	ACGTTGGATGTTAAGCCTGGGACTTTTGGG	<u>1080</u>
2046778	ACGTTGGATGGTTCCTTCCCCCATAAAAAC	<u>1081</u>	ACGTTGGATGCATGAAGCCTTATGCTTGAG	<u>1082</u>
2054708	ACGTTGGATGCTAGGCATATCATGCCTCTG	<u>1083</u>	ACGTTGGATGTTGAGCTCACTGTTACCTGC	<u>1084</u>
2078403	ACGTTGGATGTGTGCTCAGGATCGACAGAC	<u>1085</u>	ACGTTGGATGACTCGAGACAACCTACAAGG	<u>1086</u>
2086832	ACGTTGGATGCTTTTGAGCATCACATTCCTC	<u>1087</u>	ACGTTGGATGTGCCTAAGCACTGTATAACC	<u>1088</u>
2129108	ACGTTGGATGAACTCCCAGTAAGTCCCTCC	<u>1089</u>	ACGTTGGATGACTCAGGCAGTAACCTCAAC	<u>1090</u>
2129111	ACGTTGGATGTACACTTTTCCCGCAAGACC	<u>1091</u>	ACGTTGGATGGTCATGGACATCTACAGTATC	<u>1092</u>
2170850	ACGTTGGATGGAAGGCCAATGCAAGGATAC	<u>1093</u>	ACGTTGGATGAAGAACACACAAAAAAT	<u>1094</u>
2279472	ACGTTGGATGGAGAAGAGCATTGGTTGCTG	<u>1095</u>	ACGTTGGATGTGCCACAAGTGCTATCTAC	<u>1096</u>
2291304	ACGTTGGATGGTCTCAGGAAGGTTTAGAGG	<u>1097</u>	ACGTTGGATGAAAAGACAAACGATATGGCC	<u>1098</u>
2291305	ACGTTGGATGCATGATTTCAAATCATGTTT	<u>1099</u>	ACGTTGGATGGAGATGTACAGTATGAGTCC	<u>1100</u>
2291306	ACGTTGGATGCAGCGACTAGTCATTAACCG	<u>1101</u>	ACGTTGGATGCAGTTGGTTTCAACTCTGCC	<u>1102</u>
2291309	ACGTTGGATGCATTGTTGTTCTCTACCATT	<u>1103</u>	ACGTTGGATGAAAGTGGTAAAGGAGAGGCG	<u>1104</u>
2291310	ACGTTGGATGGTGCTTGATACTTGGCCTAC	<u>1105</u>	ACGTTGGATGCAACTGGAAATTGCCGAAGC	<u>1106</u>
2291311	ACGTTGGATGTCAACATTTACTCCTAGCTC	<u>1107</u>	ACGTTGGATGATTTTGGGCTGTGGTCTTCC	<u>1108</u>
2291312	ACGTTGGATGTGATTCTCCTGCATCGCTC	<u>1109</u>	ACGTTGGATGTCCAAGTTCAAGAACGACAC	<u>1110</u>
2291313	ACGTTGGATGTTTCGAGTTTACCGTATGGTG	<u>1111</u>	ACGTTGGATGGATCACAGACAGGTCAAGTG	<u>1112</u>
2306636	ACGTTGGATGCTGAGACCAGTCTGTGTTTG	<u>1113</u>	ACGTTGGATGGTTTCCCATGACACTGTTCC	<u>1114</u>
2306637	ACGTTGGATGCTACTACTATTTCTGGAGTC	<u>1115</u>	ACGTTGGATGCTTATGCATTTCAACTGCCAC	<u>1116</u>
2366911	ACGTTGGATGGTAGATGCTTGAATCAATAAAG	<u>1117</u>	ACGTTGGATGATAGCAGCTCCAGAAGTGG	<u>1118</u>
2366912	ACGTTGGATGGAACTGTTGTTGAATGGGAC	<u>1119</u>	ACGTTGGATGCAATACTTGTAAATAGCAGC	<u>1120</u>
2366913	ACGTTGGATGCTATCTGTATTCTCATGGCTG	<u>1121</u>	ACGTTGGATGTTACCTAGTTCTGGAGCTGC	<u>1122</u>
3769858	ACGTTGGATGCTACATGTCCATGTTTGATG	<u>1123</u>	ACGTTGGATGGCATCAACCTTTATGCCAAG	<u>1124</u>
3769860	ACGTTGGATGGTATACAGAATATTGCATGCC	<u>1125</u>	ACGTTGGATGGAACATCATTGAAGGTAAG	<u>1126</u>
3769863	ACGTTGGATGCAAGGATTTATTACATGCTG	<u>1127</u>	ACGTTGGATGGTCATCAGGAGAAAGTAAGC	<u>1128</u>
3816782	ACGTTGGATGGAGGAAACCAGAGCTTCAAG	<u>1129</u>	ACGTTGGATGCAGCACGCTGTTTCTCAATG	<u>1130</u>
3816849	ACGTTGGATGAACCAGCTCACCTCAGGAAC	<u>1131</u>	ACGTTGGATGTTGTGGTGCCATTCAAAC	<u>1132</u>

Please amend Table 31 on pages 119-120 as follows:

**TABLE 31**

dbSNP rs#	SEQ ID NO.	Extend Primer	Term Mix
726215	<u>1133</u>	TTGAGAACACAGGATGC	ACT
966783	<u>1134</u>	CTCCCATTTTGGTCTTG	ACG
998329	<u>1135</u>	GGTGTTTTGTCAGTACAATT	ACG
1387472	<u>1136</u>	ACTACAAACTCTTCCTTACC	CGT
1484119	<u>1137</u>	GTTGTTTATGTTATGTTATGTGTT	ACT
1484120	<u>1138</u>	TGTGCCTCAGTTTCTCC	CGT
1489479	<u>1139</u>	GACAGCTGTAATTGTAGACC	ACT
1489480	<u>1140</u>	CTCAATCACATTTACCCTC	ACT
1489481	<u>1141</u>	TCTGATTGTTCCATTAATATCTG	ACT
1489482	<u>1142</u>	CAGCTATCTGGAAATCTTGTTTGA	CGT
1489483	<u>1143</u>	GTGTACACATATAGCAACCTCA	ACT
1489486	<u>1144</u>	CTCTGACCTGTGAGCTAC	ACT
1552280	<u>1145</u>	GCTGTTGAATCAGGATTTGATT	ACG
1565288	<u>1146</u>	GGCAAAGAAACACTAGAAA	ACG
1844334	<u>1147</u>	CAGTTCGGCAGTTTCTT	ACT
1872203	<u>1148</u>	AAAAAATCATGAAAAGGAGCATG	CGT
1905520	<u>1149</u>	ACAAGTCTTTTCATGGTC	ACG
2029395	<u>1150</u>	CAAAATGAAGGAACACTTATCA	ACG
2029397	<u>1151</u>	AGCTCTGTTGGCACTTT	ACT
2046777	<u>1152</u>	GAGCCTGATTATTTGTTGGGTA	ACG
2046778	<u>1153</u>	CTGTCATGATTGACAGGTCC	ACT
2054708	<u>1154</u>	CCTGGGCCTGGAAGGCAAC	ACG
2078403	<u>1155</u>	GGCTGGAGCAAGAATTA	ACG
2086832	<u>1156</u>	CAATGTAATCCTTGATAGAT	CGT
2129108	<u>1157</u>	CAACTACATAGTCAGACTTT	ACT
2129111	<u>1158</u>	TATACGCAATAGTTCCTGGG	ACT
2170850	<u>1159</u>	GAACACACAAAAAATTTAATCA	ACT
2279472	<u>1160</u>	CTCTTTAAACCTGCATTTTC	ACT
2291304	<u>1161</u>	CGATATGGCCATTTTGG	ACT
2291305	<u>1162</u>	CATATTCACACAATGGGAAAA	CGT
2291306	<u>1163</u>	CTGCCAACTATCAGCTT	ACT
2291309	<u>1164</u>	GCGAGACCATGGCATATAACA	ACT
2291310	<u>1165</u>	AACCTACACGTTTGTTGCTA	ACT
2291311	<u>1166</u>	GTGGTCTTCCGGATATCA	ACG
2291312	<u>1167</u>	CGACACAAATATGTAGTGGA	ACT
2291313	<u>1168</u>	TGTCTTGCTACATTCCAGT	ACT
2306636	<u>1169</u>	TCCAGTAAAAATGGTTCATAAGA	ACT
2306637	<u>1170</u>	TCAACTGCCACAAAATG	ACT
2366911	<u>1171</u>	TTCCTTTGTCCCATTCA	ACT

dbSNP rs#	<u>SEQ ID</u> <u>NO.</u>	Extend Primer	Term Mix
2366912	<u>1172</u>	TGTAATAAGCAGCTCCAGAA	CGT
2366913	<u>1173</u>	ATTCTAAATGGAAAAAGAGCCA	ACG
3769858	<u>1174</u>	TGCCCTGAATGTGCCTC	ACT
3769860	<u>1175</u>	GGATAAGCATATGTAACTTTACG	CGT
3769863	<u>1176</u>	AAGTAAAAAGGACATAAAACCT	ACT
3816782	<u>1177</u>	GTTGATGGAACAACATAAAA	CGT
3816849	<u>1178</u>	GCCCATTCAAACATAAAG	ACT